

Atividade: ESTABELECIMENTO DE COLEÇÃO NUCLEAR DE MAMÃO

Trabalho: ESTABELECIMENTO DE COLEÇÃO NUCLEAR DE MAMÃO

Autor(es): FREDSON DOS SANTOS MENEZES, Jorge Luiz Loyola Dantas

Resumo: No Brasil tem-se atualmente 51 espécies com coleções nucleares já estabelecidas, dentre as quais destaca-se o milho, o arroz, a mandioca e a pupunha. Pode-se citar como suas principais vantagens: a diminuição do espaço requerido em campo para implantação da mesma e reduções de capital e de mão de obra para sua manutenção. Uma coleção nuclear é um grupo limitado de acessos que representa, com um mínimo de repetitividade, a máxima diversidade genética conservada de uma espécie. Entre as atividades necessárias para o estabelecimento de uma coleção nuclear de mamão (*Carica papaya* L.) está a avaliação dos genótipos com uso de descritores morfoagronômicos. Trata-se de um estudo baseado em caracteres qualitativos e quantitativos, de fácil detecção e mensuração. Considerando a existência de diversidade intra-acesso no germoplasma de mamoeiro, em função das polinizações cruzadas entre diferentes plantas do mesmo acesso, foram selecionadas para o presente estudo 285 plantas oriundas de 97 acessos de mamoeiro disponíveis no Banco Ativo de Germoplasma de Mamão da Embrapa Mandioca e Fruticultura (BAG-Mamão). Esta seleção foi realizada com intuito de reduzir a variabilidade intra-acesso e maximizar a variação genética entre acessos, considerando a existência de diferentes sistemas reprodutivos. As avaliações morfoagronômicas das plantas selecionadas foram realizadas com uso de uma lista contendo 27 descritores quantitativos e 16 descritores qualitativos. Essa listagem foi definida a partir do "Catálogo de germoplasma de mamão", ajustado a partir dos descritores elaborados pelo ex-International Board for Plant Genetic Resources - IBPGR em 1988. Os dados obtidos estão em fase de análise e espera-se que os descritores utilizados sejam úteis para selecionar os acessos que melhor representem a variabilidade genética da coleção original.

Palavras-chave: *Carica papaya* L., recursos genéticos, caracterização morfoagronômica, diversidade genética.