

Caracterização molecular de híbridos do banco ativo de germoplasma de citros da Embrapa Mandioca e Fruticultura

Ana Cláudia Oliveira Barbosa¹; Rogério Mercês Ferreira Santos²; Iane dos Santos Queiroz¹; Naira dos Santos Dias¹; Carolina Macedo Miranda¹; Kátia Nogueira Pestana²; Paulo Henrique da Silva³; Walter dos Santos Soares Filho⁴; Abelmon Gesteira⁴; Cláudia Fortes Ferreira⁴

¹Estudante da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia; ²Pós-doutoranda da Embrapa Mandioca e Fruticultura; ³Doutorando da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia; ⁴Pesquisador da Embrapa Mandioca e Fruticultura. E-mails: aina-cob2@hotmail.com, rogeriomercês@gmail.com, q.iane@hotmail.com, nairapiresdias@hotmail.com, lol_fsa@hotmail.com, katipestana@yahoo.com.br, pphsilvaufpb@gmail.com, walter.soares@embrapa.br, abelmon.gesteira@embrapa.br, claudia.ferreira@embrapa.br

Embora a citricultura brasileira seja uma das principais atividades agroindustriais do país, a base genética ainda é bastante estreita, tendo esse fato contribuído para a vulnerabilidade da cultura frente aos problemas fitossanitários. A ampliação do número de variedades/genótipos com potencial para utilização em plantios comerciais, quer seja para a indústria, ou para o mercado de frutas para consumo *in natura*, tem sido um dos principais objetivos dos programas de melhoramento genético de citros (PMGC). O PMGC tem se destacado nas últimas décadas, principalmente devido ao avanço das técnicas de biotecnologia e seu auxílio aos programas tradicionais de melhoramento. Portanto, este trabalho objetiva caracterizar em nível molecular, 182 híbridos PEs (porta-enxertos) de citros tolerantes à seca provenientes do BAG-Citros da Embrapa Mandioca e Fruticultura por meio de marcadores moleculares IRAPs (*Inter-Retrotransposon Amplified Polymorphism*), ISSRs (*Inter Simple Sequence Repeats*) e SSRs (*Simple Sequence Repeats*). O presente trabalho encontra-se em andamento. Os resultados gerados serão de grande utilidade ao melhoramento genético, pois permitirão maior compreensão sobre a genética dos citros e fornecerão subsídios na seleção de genitores para uso em futuras hibridizações, podendo ser uma ferramenta auxiliar no programa de melhoramento, como também na caracterização do BAG-Citros.

Palavras chave: Citrus spp; marcadores moleculares; melhoramento genético