

Identificação de espécies do gênero *Trichoderma* recuperadas de pomares de citros no Estado da Bahia

Letícia Cruz de Santana¹; Maria Zélia Alencar de Oliveira²; Carla Idalina Fernandes de Oliveira³; Cristiane de Jesus Barbosa⁴

¹Estudante de Ciências Biológicas da Universidade Federal da Bahia; ²Pesquisadora projeto UEFS; ³ Estagiária da Agência Estadual de Defesa Agropecuária da Bahia; ⁴ Pesquisadora da Embrapa Mandioca e Fruticultura. E-mails: leticia.santana@outlook.com, zeliaao@gmail.com, carla-id1@hotmail.com, cristiane.barbosa@embrapa.br

Introdução – Fungos do gênero *Trichoderma* são importantes agentes de controle biológico de pragas, podendo ser uma alternativa importante para o manejo sustentável de insetos vetores de doenças em citros, ou de doenças do seu sistema de produção de mudas, como o “damping-off”. Trabalhos concomitantes, de prospecção de agentes de controle biológico da biota de solos de pomares de citros no Estado da Bahia, permitiram a recuperação de isolados de *Trichoderma* spp. de pomares estabelecidos no Recôncavo Sul, Litoral Norte, Chapada Diamantina e Vale do São Francisco. **Objetivo** – O objetivo deste trabalho foi identificar, por métodos moleculares, as espécies de *Trichoderma* recuperadas em pomares estabelecidos no Recôncavo Sul, Litoral Norte, Chapada Diamantina e Vale do São Francisco. **Material e Métodos** – Foram utilizados 36 isolados mantidos no Laboratório de Fitopatologia do Campo Avançado da Embrapa Mandioca e Fruticultura, em Salvador-BA. Os isolados foram primeiramente obtidos em culturas monospóricas, em meio de cultura batata-dextrose BDA, por sete dias a 25 °C e fotoperíodo de 12 horas. Amostras do micélio foram utilizadas na obtenção do DNA total. Para a identificação dos isolados utilizaram-se os *primers* ITS1 (5' TTC CGT AGG TGA ACC TGC GG 3') e ITS4 (5' TCC TCC GCT TAT TGA TAT GC 3'); *tef1* fw (5'-GTGAGCGTGGTATCACCATCG-3') e *tef1* rev (5'-GCCATCCTTGGAGACCAGC-3') que amplificam, respectivamente, região do rDNA nuclear e a porção do fator de alongamento da transcrição. A reação foi realizada em 60 µL contendo aproximadamente 80 ng de DNA. As reações foram realizadas para os primers ITS1 e ITS 4 nas condições de – 94 °C por 2 min, 40 ciclos de 94 °C por 10s, 55 °C por 30 s, 72 °C por 45 segundos. Para os primers *tef1* fw e *tef1* rev o sistema de reação foi de 94 °C por 3 min, 35 ciclos de 94 °C por 30s, 57 °C por 45s, 72 °C por 60 segundos. Os fragmentos amplificados foram separados por eletroforese em gel de agarose 1,5 %, contendo brometo de etídio, visualizado sob luz ultravioleta e fotografado. **Resultados** – O DNA dos isolados de *Trichoderma* foram extraídos e amplificados eficientemente e o tamanho dos fragmentos amplificados foi de cerca de 600 pares de bases (pb) para os primers ITs e 270 pb para os primers *tef1*. **Conclusões** – Foram obtidos os produtos de PCR do fragmento da região ITS e do gene TEF1-α necessários à identificação taxonômica de espécies de *Trichoderma*. Os produtos da PCR serão enviados para sequenciamento com este fim.

Palavras-chave: Biocontrole; entomopatogênicos; patógenos.