

Incorporação de genes de resistência a vírus em cultivares de feijão-caupi

Incorporation of virus resistance genes in cowpea cultivars

Maria do Socorro da Rocha Nogueira⁽¹⁾, Paulo Sérgio Torres Brioso⁽²⁾, Valdenir Queiroz Ribeiro⁽¹⁾ e Francisco Rodrigues Freire-Filho⁽³⁾

⁽¹⁾ Embrapa Meio-Norte, Av. Duque de Caxias, 5650, B. Buenos Aires, CEP 64006-220 Teresina, PI. E-mail: msocorro_nogueira@hotmail.com, valdenir.queiroz@embrapa.br

⁽²⁾ Universidade Federal Rural do Rio de Janeiro - UFRRJ, Rodovia BR 465, Km 7, Campus Universitário, Zona Rural, CEP 23851-970 Seropédica, RJ. E-mail: paulobri@ufrj.br

⁽³⁾ Embrapa Amazônia Oriental, Travessa Doutor Enéas Pinheiro, S/N, Bairro Marco, CEP 66095-100 Belém, PA. E-mail: francisco.freire-filho@embrapa.br

A produtividade do feijão-caupi pode ser comprometida por vários fatores. Entre eles, destacam-se as doenças ocasionadas por vírus, responsáveis por perdas na produção que podem alcançar até 80%. No Brasil, ocorrem vírus em todas as regiões produtoras de feijão-caupi, particularmente na região Nordeste. O objetivo desse trabalho foi incorporar resistência a vírus em cultivares melhoradas e crioulas de feijão-caupi de modo a contribuir para reduzir as perdas na produção e o uso, inadequado, de defensivos para controle de insetos vetores. Os trabalhos foram realizados na Embrapa Meio-Norte. Foram utilizados isolados virais do CPSMV-I, CPSMV-II e CABMV, obtidos na Embrapa Meio-Norte. Os vírus foram inoculados mecanicamente em genótipos indicadores do CPSMV sorotipo I (TE 93-200-49F) e CPSMV sorotipo II (TE 94-256-2E) e CABMV (Pampo). Os parentais recorrentes foram as cultivares BR 3-Tracuateua, BRS Milênio, BRS Guariba, BRS Novaera e Pretinho, selecionadas com base nas suas características agrônômicas. Os parentais doadores foram a linhagem TE97-309-G9 e a cultivar Patativa, selecionadas por apresentarem resistência múltipla ao CABMV e CPSMV. Foram realizados os cruzamentos e dois ciclos de retrocruzamentos, que foram avançados até F₃RC₂. Após a avaliação para resistência a vírus sobressaíram-se 32 progênies altamente resistentes a ambos os vírus. Em 2013 foram realizados dois ensaios com essas progênies, um em Teresina, PI e outro em Tracuateua, PA. Com base na análise conjunta desses ensaios e considerando o valor de cultivo e a produtividade, sobressaíram as linhagens MNC10-1001B-13-10, MNC10-997B-17-7, MNC08-937C-6.1, MNC09-998B-20, MNC10-998-1B-20-3, MNC10-998-1B-3-20, MNC09-981B-3, MNC10-997B-17-2 e MNC09-981B-2.

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, germoplasma, melhoramento genético.

Agradecimentos: Embrapa Meio-Norte, Embrapa Amazônia Oriental e UFRRJ.