

Avaliação de híbridos de milho superprecoce no Rio Grande do Sul

Andressa Gehlen¹, Jane Rodrigues de Assis Machado², Larissa Orso³ e Jonathan Gauze⁴

¹ Graduanda em Agronomia, Universidade de Passo Fundo, Passo Fundo, RS, estagiária da Embrapa Trigo. ² Pesquisadora da Embrapa Milho e Sorgo, Sete Lagoas, MG, orientadora. ³ Graduanda em Agronomia, Instituto de Desenvolvimento Educacional, Passo Fundo, RS, estagiária da Embrapa Trigo. ⁴ Bolsista pós-doutorado do CNPq na Embrapa Milho e Sorgo.

Resumo - O Milho (*Zea mays*) é cultura de grande valor econômico, ocupando significativo destaque na produção mundial tanto como fonte de energia na nutrição animal, como também para consumo humano. Para obtenção de novas cultivares visando minimizar os grandes desafios da cultura, torna-se importante, nos programas de melhoramento genético da cultura, avaliar anualmente os novos híbridos obtidos. Portanto, o objetivo deste trabalho foi avaliar o comportamento de híbridos de milho de ciclo superprecoce na safra de 2017/2018. Implantou-se o ensaio no município de Coxilha, RS no dia 18 de outubro de 2017. O delineamento foi de blocos casualizados, em que foram avaliados 21 híbridos, sendo 17 híbridos experimentais e quatro testemunhas, em duas repetições e parcelas de duas linhas de quatro metros com espaçamento entre linhas de 0,80 m. As características analisadas foram: altura de planta, altura de espiga, umidade de grãos e produtividade de grãos. Foi realizada a análise de variância para as características avaliadas. Os resultados mostraram que os híbridos apresentaram diferença significativa pelo teste de F somente para produtividade de grãos. As médias foram então comparadas pelo teste de Scott e Knott a 5% de probabilidade. Os melhores híbridos foram as testemunhas AS1551PRO2, 2B688PW e BRS 1002 e os híbridos experimentais 1Q2341, 1Q2339, 1N1833, 1Q2345, 1Q2342, 1Q2340, 1Q2349 e 1N1830, por apresentarem as maiores médias e não diferiram significativamente entre si. O desempenho dos híbridos experimentais em relação às testemunhas indica que os mesmos têm potencial para compor os ensaios de VCU.

Termos para indexação: milho (*Zea mays*), genótipos de milho, ciclo de milho.