

## Genotipagem e rastreabilidade alélica da população segregante de trigo Toropi x Morocco por marcadores microssatélites

Gabriela Alberis Marques<sup>1</sup>, Paula Wiethölter<sup>2</sup> e Sandra Patussi Brammer<sup>3</sup>

<sup>1</sup> Acadêmica do curso de Biomedicina - FASURGS, Passo Fundo, RS, bolsista PIBIC/CNPq. <sup>2</sup> Professora da FASURGS, orientadora. <sup>3</sup> Pesquisadora da Embrapa Trigo, Passo Fundo, RS, coorientadora.

**Resumo** – O trigo (*Triticum aestivum* L.) destaca-se entre os cereais mais produzidos no mundo, ocupando a terceira posição, sendo superado apenas pelo milho e pelo arroz. No entanto, é comum o acometimento de diversas doenças que afetam o seu desenvolvimento, como a ferrugem-da-folha, ocasionada pelo fungo *Puccinia triticina* Ericks. Essa doença tem importância histórica e econômica, pois compromete a produtividade e a qualidade dos grãos. A melhor estratégia para o seu controle é o uso da resistência genética, principalmente a resistência durável de planta adulta (RPA). Desta maneira, a piramidização de genes pode aumentar a vida útil das cultivares por garantir resistência a um número maior de raças do fungo. O objetivo deste trabalho foi genotipar e verificar a rastreabilidade alélica da população segregante F2 de trigo Toropi x Morocco, por meio de marcadores de DNA microssatélites. Foram selecionados primers de microssatélites disponíveis na literatura, a fim de identificar, primeiramente, fragmentos de DNA contrastantes entre as cultivares parentais Toropi (resistente) e Morocco (suscetível). Até o momento, dos 23 primers testados, 16 (70%) apresentaram-se monomórficos e 7 (30%) polimórficos, sendo que somente os polimórficos serão usados para a genotipagem molecular na população segregante de 200 indivíduos visando avaliar a contribuição alélica de cada parental. A disponibilização de genótipos de trigo, caracterizados através de marcadores moleculares e de avaliações fitopatológicas quanto à reação à ferrugem da folha, permitirá um incremento na eficiência de seleção e na escolha de materiais, potencialmente úteis ao programa de melhoramento genético.

**Termos para indexação:** *Triticum aestivum*, *Puccinia triticina*, Ferrugem-da-folha, PCR

**Apoio:** CNPq