

DOCUMENTOS

308

ISSN 1808-9992
Dezembro / 2022



Jornada de Iniciação
Científica da
Embrapa Semiárido

***Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária
Embrapa Semiárido
Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento***

DOCUMENTOS 308

**Anais da XVI Jornada de Iniciação
Científica da Embrapa Semiárido
29 e 30 de agosto de 2022**

***Embrapa Semiárido
Petrolina, PE
2022***

Caracterização citogenética em acessos de *Passiflora* L. do Banco Ativo de Germoplasma de Maracujá da Embrapa Semiárido

Kedma Raíssa Gomes dos Santos¹; Nataniel Franklin de Melo²

Resumo

Em *Passiflora*, a maioria das espécies é diploide com $2n = 12, 18, 20$ ou 24 , e algumas tetraploides ($2n = 24$), havendo relatos também de hexaploides ($2n = 36$) e octoploides ($2n = 72$). Diversos números básicos já foram propostos para o gênero baseando-se tanto em dados citogenéticos como moleculares, sendo $x = 6$ o mais aceito atualmente. Considerando-se a diversidade cariológica do gênero, o objetivo deste trabalho foi determinar o número cromossômico e localizar a distribuição de sequências repetitivas de DNA no cariótipo de espécies de *Passiflora* pertencentes ao Banco Ativo de Germoplasma (BAG) de Maracujá da Embrapa Semiárido. As espécies avaliadas foram *P. misera* Kunth, *P. cincinnata* Mast. e *P. foetida* L., todas mantidas no BAG de Maracujá, localizado no Campo Experimental da Caatinga, em Petrolina, PE. Raízes foram coletadas e pré-tratadas em 8-hidroxiquinoleína e fixadas em Carnoy 3:1. O preparo de lâminas foi realizado com a técnica de esmagamento, sendo utilizada a hibridização fluorescente in situ com sondas de DNAr 5S e 35S marcadas com fluorocromos rodamina ou fluoresceína. As células em divisão mitótica foram fotografadas em microscópio de epifluorescência Leica equipado com câmera digital. Observou-se $2n = 12$ cromossomos para *P. misera*, $2n = 18$ para *P. cincinnata* e $2n = 20$ para *P. foetida*. Foi observada a presença de seis sítios proximais de DNAr 35S e quatro sítios de DNAr 5S em *P. foetida*, quatro sítios proximais de DNAr 35S e dois sítios de DNAr 5S em *P. misera*, e quatro sítios de DNAr 35S subterminais nos cromossomos menores em *P. cincinnata*. A análise citogenética comparativa tem sido uma estratégia eficiente para caracterização de acessos de BAGs, contribuindo também para a definição de níveis de ploidia desses materiais em apoio aos programas de melhoramento genético.

Palavras-chave: cromossomo, DNAr, maracujazeiro, FISH.

Financiamento: bolsa Pibic/CNPq, concedida ao primeiro autor; pesquisa financiada pelo SEG Embrapa 22.16.04.007.00.03.002.

¹Estudante de Ciências Biológicas, Universidade de Pernambuco, bolsista Pibic/CNPq, Petrolina, PE; ²Biólogo, D.Sc. Ciências Biológicas/Genética, pesquisador da Embrapa Semiárido, Petrolina, PE - nataniel.melo@embrapa.br.