

## Potencial de linhagens de feijão-caupi de inflorescência composta para caracteres agronômicos e qualidade comercial do grão

Walter Frazão Lelis de Aragão<sup>1</sup>; Maurício dos Santos Araújo<sup>2</sup>; Samíria Pinheiro dos Santos<sup>2</sup>; Anna Flávia de Sousa Lopes<sup>3</sup>; Kaesel Jackson Damasceno-Silva<sup>4</sup>; Maurisrael de Moura Rocha<sup>4</sup>

<sup>1</sup>Mestre em Genética e Melhoramento, walterfrazao2@gmail.com; <sup>2</sup>Doutorando (a) em Genética e Melhoramento; <sup>3</sup>Mestranda em Agronomia; <sup>4</sup>Pesquisador da Embrapa Meio-Norte, maurisrael.rocha@embrapa.com.br

O feijão-caupi é uma leguminosa de relevância agronômica e nutricional para países da África, da Ásia, da América Latina e dos Estados Unidos. No Brasil, a cultura tem grande importância, principalmente nas regiões Norte e Nordeste, tanto em cultivo quanto em consumo. A seleção de genótipos superiores baseados em múltiplos caracteres de interesse econômico é desejada em programas de melhoramento genético. Um dos objetivos do programa de melhoramento de feijão-caupi da Embrapa Meio-Norte é a obtenção de genótipos com inflorescência composta aliada à alta produtividade de grãos. Este trabalho teve como objetivo selecionar linhagens de inflorescência composta, precoces, de porte ereto e alta produtividade e com alta qualidade comercial do grão. Trinta e dois genótipos foram avaliados, compreendendo 30 linhagens e duas testemunhas (MNC05-828C-3-15 e MNC11-1076B-91-1-25), em um ensaio intermediário do programa de melhoramento genético de feijão-caupi da Embrapa Meio-Norte. O ensaio foi conduzido no campo experimental da Embrapa Meio-Norte, em Teresina, PI, entre abril e junho de 2021. O delineamento foi em blocos completos ao acaso, com duas repetições. Os caracteres avaliados foram: número de dias para a floração (IF), tipo de porte (TP), qualidade comercial do grão (QCG), número de grãos por vagem (NGV), peso de 100 grãos (P100G) e produtividade de grãos (PROD). As análises de deviance foram realizadas pela abordagem REML/BLUP e estimados os valores genéticos (modelo 96) por meio do software Selegen. A seleção simultânea foi feita com base nos valores genéticos via índice de soma de postos ou ranks. O teste de razão verossimilhança identificou diferença significativa a  $p < 0,05$  e  $p < 0,01$  em relação à maioria dos caracteres, exceto ao TP e ao IF. As linhagens MNC15-34E-454, MNC15-34E-467, MNC15-34E-489, MNC15-34E-477, MNC15-34E-479, MNC15-34E-473, MNC15-34E-496, MNC15-34E-472, MNC15-34E-476, MNC15-34E-449, MNC05-828C-3-15, MNC15-34E-475, MNC15-34E-453 e MNC15-34E-493 apresentaram os valores mínimos aceitáveis em relação às características alvo da seleção, constituindo-se em candidatas para compor o próximo ensaio de rendimento no processo de melhoramento genético de feijão-caupi de inflorescência composta.

**Palavras-chaves:** *Vigna unguiculata*; seleção simultânea; pedúnculo cacheado.

**Agradecimentos:** Embrapa Meio-Norte e UFPI.