

Potencial agrônômico de progênies de feijão-caupi de inflorescência composta

Natan Melo Nascimento¹; Domingos Alves Rodrigues Júnior¹; Darllan Alves Evangelista Lima¹; Maurisrael de Moura Rocha²; Kaesel Jackson Damasceno-Silva²

¹Estudante de Engenharia Agrônômica/UFPI, bolsista PIBIT/CNPq na Embrapa Meio-Norte, natan0348@ufpi.edu.br; ²Pesquisador da Embrapa Meio-Norte, kaesel.damasceno@embrapa.br.

O feijão-caupi tem uma ampla variabilidade genética e normalmente as cultivares comerciais apresentam inflorescência simples. No entanto foram identificados na espécie genes que conferem inflorescência composta. Essa característica tem herança monogênica recessiva, que facilita a seleção de progênies de inflorescência composta nas primeiras gerações de endogamia. A inserção desse gene via melhoramento permite que a planta produza pedúnculos ramificados, o que oportuniza maior quantidade de vagens por pedúnculo, maior quantidade de vagens por planta e, conseqüentemente, maior produção de grãos por planta. Objetivou-se com este trabalho avaliar o desempenho agrônômico de 61 progênies de feijão-caupi segregando para inflorescência composta, oriundas de dois cruzamentos: C1: MNC04-795-168 x MNC11-1076-134-1-22 e C2: MNC05-828C-3-15 x MNC11-1076B91-1-25. Os dois cruzamentos foram conduzidos como dois ensaios separados e ambos em delineamento de blocos casualizados com duas repetições. Foram avaliados os seguintes caracteres: IF (início de floração), TP (tipo de porte), VC (valor de cultivo), ACAM (acamamento), COMPV (comprimento de vagem), NGV (número de grãos por vagem), P100G (peso de 100 grãos), IG (índice de grãos) e PROD (produtividade de grãos). Os dados obtidos foram submetidos à análise de variância e as médias agrupadas pelo teste de Scott-Knott ($p < 0,05$). Observaram-se diferenças significativas entre progênies do C1 em relação aos caracteres avaliados, exceto COMPV, NGV e IG; no C2, as progênies diferiram apenas quanto aos caracteres P100G e ACAM. Isso indica a existência de variabilidade genética entre as progênies, com possibilidade de ganhos por meio de seleção, principalmente no C1. Um total de 22 progênies oriundas do C1 apresentou-se superior aos parentais, exclusivamente em relação à variável IF, enquanto nenhuma das progênies apresentou-se superior aos parentais em relação a nenhum dos caracteres no C2. Os resultados indicam a possibilidade de sucesso com a seleção no C2 e no desenvolvimento de cultivares de feijão-caupi precoces de inflorescência composta.

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, pedúnculo ramificado, melhoramento.