

Estimativas de Parâmetros Genéticos nas Variedades de Milho CMS 47 e São Vicente na Região Meio-Norte do Brasil

CARDOSO, M.J.¹, CARVALHO, H. W. L. de,² SANTOS, M.X. dos³ e SOUZA, E.M. de²

No ano agrícola de 2002/2003, as variedades de milho CMS 47 e São Vicente foram submetidas aos ciclos III de seleção entre e dentro de progênies de meios-irmãos, na região Meio-Norte do Brasil, visando elevar a frequência de alelos favoráveis e obter estimativas de parâmetros genéticos. Foram avaliadas 196 progênies de meios-irmãos de cada material, em blocos ao acaso, com duas repetições, com recombinação das progênies superiores dentro do mesmo ano agrícola, de modo a se obter um ciclo/ano. Foram evidenciadas diferenças genéticas entre as progênies dessas duas variedades, tanto a nível de local quanto na média dos locais. A variedade CMS 47 apresentou maior variabilidade que a variedade São Vicente, refletido em um maior componente da variância genética aditiva. O ganho médio esperado com a seleção entre e dentro de progênies de meios-irmãos também expressa essa variabilidade, sendo de 11,80 % na variedade CMS 47 e 6,19 % na variedade São Vicente.

Palavras-chave: *Zea mays*, meios-irmãos, ganhos genéticos, melhoramento intrapopulacional

¹Embrapa Meio-Norte, Caixa Postal 01, Teresina, PI, E-mail: milton@cpamn.embrapa.br ²Embrapa Tabuleiros Costeiros, Caixa Postal 44, Aracaju, SE, E-mail: helio@cpatc.embrapa.br ³Embrapa Milho e Sorgo, Caixa Postal, 151, Sete Lagoas, MG

