

AGRUPAMENTO DE LINHAGENS DE FUNGO COM BASE EM CRESCIMENTO MICELIAL E ESPORULAÇÃO

Aline de Holanda Nunes Maia;¹
Antônio César Rosamiglia²

A caracterização morfológica e genética do fungo *Colletotrichum gloeosporioides* faz parte de estudos para subsidiar a avaliação de risco do uso desse fungo para controle de uma praga de Citrus, a cochonilha *Orthezia praelonga*. Algumas linhagens do fungo *C. gloeosporioides* são agentes causadores de doenças em Citrus. Essas linhagens são ditas fitopatogênicas enquanto as que causam doenças em insetos são chamadas entomopatogênicas. Portanto, o risco de que as linhagens entomopatogênicas passem a atuar como fitopatogênicas, quando usadas no controle de pragas, está relacionado com o grau de similaridade entre essas linhagens. Nesse estudo, foi realizada uma análise de agrupamento para verificar se a classificação baseada na similaridade observada quanto ao crescimento e esporulação, coincide com a classificação prévia das linhagens em fitopatogênicas e entomopatogênicas. A técnica de agrupamento foi aplicada a dois conjuntos de variáveis: (a) taxa de crescimento micelial média e esporulação; e (b) esporulação e estimativas dos efeitos linear (α), quadrático (β) e cúbico (γ) das curvas de crescimento micelial. Nos dois casos a esporulação foi mensurada pelo número médio de conídios/ml. As estimativas dos parâmetros α , β e γ foram ponderadas com base na sua contribuição para a composição da taxa de crescimento. O uso desta técnica, por permitir a visualização dos grupos, facilita o diagnóstico confirmador da distinção entre as linhagens.

1 Embrapa – Meio Ambiente, Rod. SP-340, km 127,5, Jaguariúna – SP CEP 13.820 – 000.
E-mail: ahmaia@cnpma.embrapa.br

2 Pós-graduando UNESP, Bolsista CNPq