



Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe

***"Por la valoración de los Recursos Genéticos para el
Desarrollo Sustentable en América Latina y el Caribe"***

MEMORIA



DIVERSIDADE GENÉTICA MULTIVARIADA ENTRE PROGÊNIES DE AÇAIZEIRO

João Tomé de Farias Neto¹, Maria do Socorro Padilha de Oliveira¹, Nelma dos Santos Amorim dos Santos², Peter Nilton Bezerra Falcão²

¹*Pesquisadores da Embrapa Amazônia Oriental,*

Cx. Postal 48 66095-100, Belém, PA, Brasil .

E mail tome@cpatu.embrapa.br spadilha@cpatu.embrapa.br

²*Bolsista do CNPq*

Os principais produtos do açaizeiro explorados pelos habitantes da Amazônia são o fruto e o palmito. Do primeiro é obtido o suco denominado de açaí, obtido por maceração manual ou mecânica da polpa do fruto que é comercializada no mercado local e nacional “in natura” e congelada para a fabricação de sorvetes, picolés, como bebida energética, em academias de ginástica, e como complemento e/ou substituto das principais refeições principalmente das populações ribeirinhas, sendo o principal motivo do plantio do açaizeiro em larga escala tanto em áreas de várzea quanto em terra firme. A implantação da coleção de germoplasma dessa espécie na Embrapa Amazônia Oriental e sua posterior caracterização, foi o marco inicial para o estabelecimento do programa de melhoramento genético. Devido a necessidade de enriquecimento da coleção de germoplasma, novas coletas de acessos foram realizadas. Com base no exposto, o presente trabalho teve como objetivo quantificar a divergência genética por meio de técnicas de análise multivariada (distâncias genéticas e análise de agrupamento) pelo método de Tocher, aplicado sobre as distâncias euclidianas médias de valores genotípicos obtidos pelo método BLUP (melhores preditores lineares não viciados). Foram estabelecidos 2 experimentos em látice 5 x 5 com duas repetições e 5 plantas por parcela. Os experimentos foram avaliados ao nível de indivíduos para os caracteres altura, diâmetro, número de folhas vivas, altura do primeiro cacho, número de perfilhos, presença de cachos e sobrevivência. Verificou-se que a maioria das progênies (33) foi alocada em um mesmo grupo genético. Ao todo foram obtidos 6 grupos divergentes, os quais podem orientar cruzamentos visando a busca de descendentes heteróticos. A progênie 1 mostrou-se a mais divergente de todas.