

ESTIMATIVA DE PARÂMETROS GENÉTICOS EM POPULAÇÃO DE SORGO FORRAGEIRO, UTILIZANDO-SE PROGÊNIES DE MEIOS-IRMÃOS E  $S_1$ .

Santos, F.G.<sup>1</sup>

Existe considerável variabilidade genética no germoplasma de sorgo, que pode ser explorada para a obtenção de cultivares superiores. Uma alternativa para atingir esse objetivo é a utilização da seleção recorrente, empregada com sucesso na cultura do milho. Na cultura do sorgo, essa metodologia torna-se viável com o uso da macho-esterilidade genética, que favorece um grande número de recombinações nas populações desenvolvidas. Nesse sentido, foi realizado um trabalho com o objetivo de estimar parâmetros genéticos para doze caracteres, na população de sorgo forrageiro BRP9R, utilizando-se progênies de meios-irmãos e  $S_1$ . Foram avaliadas 196 progênies de cada tipo, em látice simples 14 x 14, em Sete Lagoas e Coimbra, MG. As médias obtidas para os caracteres, estudados em progênies de meios-irmãos mostraram-se superiores às verificadas em progênies  $S_1$ , com diferenças que possibilitaram indicar a ocorrência de pequena depressão por endogamia na população. A significância da variância genética observada na população indica a presença de variabilidade genética suficiente para a obtenção de ganhos significativos na produção de forragem. As estimativas verificadas para o coeficiente de herdabilidade, coeficiente de variação genética e índice de variação indicam que melhores resultados podem ser obtidos com a seleção, utilizando-se progênies  $S_1$ . Com relação ao progresso esperado por ciclo de seleção, verificou-se que as estimativas obtidas para progênies  $S_1$  foram sensivelmente superiores às alcançadas para progênies de meios-irmãos, para todos os caracteres avaliados, em níveis que possibilitam sucesso na seleção, principalmente para rendimento.

---

<sup>1</sup>Pesquisador, EMBRAPA/CNPMS, CEP 35701-970 Sete Lagoas, MG, C.P. 151.