

Caracterização molecular do gene da proteína capsidial do *Prune dwarf virus*. Fajardo, TVM1; Poppe, JK2; Eiras, M3; Nickel, O1. 1Embrapa Uva e Vinho, CP 130, CEP 95700-000, Bento Gonçalves, RS, Brasil; 2Engenharia de Bioprocessos e Biotecnologia, UERGS, Bento Gonçalves, RS; 3CPDSV, Instituto Biológico, São Paulo, SP.E-mail: thor@cnpv.embrapa.br. Molecular characterization of the *Prune dwarf virus* coat protein gene.

O vírus do nanismo da ameixeira (*Prune dwarf virus*, PDV) (*Bromoviridae*, *Ilarvirus*) é um dos principais patógenos da cultura do pessegueiro em vários países, incluindo o Brasil. Também pode infectar outras espécies de *Prunus* como a ameixeira, nectarineira, cerejeira, amendoeira e damasqueiro. O objetivo deste trabalho foi caracterizar o gene da proteína capsidial (CP) do isolado de PDV, obtido de pessegueiro cv. Marli, proveniente de Bento Gonçalves (Pinto Bandeira), RS. O RNA total foi extraído com kit comercial e a RT-PCR foi conduzida conforme protocolo-padrão, utilizando-se os oligonucleotídeos 1214-1235 (viral) e 1849-1870 (compl.) baseados na seqüência NC_008038 (GenBank). O fragmento amplificado (657 pb) foi clonado, dois clones sequenciados e as seqüências obtidas comparadas a outras do banco de dados GenBank. A seqüência de nucleotídeos do gene da CP do isolado MC1 foi depositada no GenBank (FJ360750). As identidades verificadas entre o isolado MC1 e 24 isolados deste vírus variaram de 92,2-95,5%, para nucleotídeos, e de 94,4-96,7% para aminoácidos deduzidos, compreendendo várias hospedeiras de diferentes origens geográficas. A maior identidade foi verificada com o isolado PD8 de cerejeira da Turquia (EF524271). O conhecimento da variabilidade viral é importante para a definição da diagnose e controle da doença.