

RT-PCR para detecção de vírus em vinhedos antigos e em cochonilhas vetoras. Basso, M. F.¹; Fajardo, T. V. M.¹; Eiras, M.²; Botton, M.³; Ayub, R. A.⁴; Nickel, O.¹ - ¹Embrapa Uva e Vinho -Lab. de Virologia; ²Instituto Biológico - Lab. de Fitovirologia; ³Embrapa Uva e Vinho - Lab. de Entomologia; ⁴Universidade Estadual de Ponta Grossa - UEPG. E-mail: marcosbiotec@gmail.com. RT-PCR for virus detection in old vineyards and mealybug vectors.

A propagação vegetativa da videira favorece a ocorrência de infecções virais múltiplas. Neste trabalho foram identificados os vírus presentes em dois vinhedos experimentais: um da cv. Cabernet Sauvignon (*Vitis vinifera*) de 1995 e outro da cv. Isabel (*Vitis labrusca*) de 1971. Foram marcadas duas plantas de Cabernet Sauvignon e três de Isabel, extraíram-se dsRNAs de ramos maduros, que foram submetidos a RT-PCR com 17 pares de oligonucleotídeos específicos para a detecção dos seguintes vírus: *Grapevine virus A* (GVA), *Grapevine virus B* (GVB), *Grapevine virus D* (GVD), *Grapevine fleck virus* (GFkV), *Grapevine fanleaf virus* (GFLV), *Arabis mosaic virus* (ArMV), *Grapevine chrome mosaic virus* (GCMV), *Rupestris stem pitting-associated virus* (RSPaV), *Grapevine leafroll-associated virus 1 a 4* (GLRaV-1 a -4), além de oligonucleotídeos degenerados para *Closteroviridae*, *Betaflexiviridae* e *Vitivirus/Trichovirus*. Pelo menos um fragmento amplificado, de cada par de oligonucleotídeos, foi clonado e sequenciado, identificando-se o RSPaV e/ou GLRaV-2 e -3 em todas as amostras. As sequências, depositadas no GenBank (RSPaV: GU166289, HM059036, HM059038, HM059037, GU166290, HM130524, HM358051; GLRaV-2: HM059039, HM059035, HM358050; GLRaV-3: HM059040, HM059034), apresentaram identidades superiores a 90% com os respectivos isolados virais do GenBank. Além disso, GVA (HM358052), GVB e GLRaV-3 foram detectados via RT-PCR em 3 de 5 amostras de cochonilhas (*Pseudococcus viburni* e *Planococcus citri*) coletadas em vinhedos de Caxias do Sul e Petrolina.