



DISSIMILARIDADE ENTRE ACESSOS DE AMENDOIM FORRAGEIRO QUANTO À PRESENÇA OU AUSÊNCIA DE FUNGOS MICORRÍZICOS ARBUSCULARES

José Marlo Araujo de Azevedo¹, Giselle Mariano Lessa de Assis², Orivaldo José Saggin Junior³, Hellen Sandra Freires da Silva⁴, Flávia da Piedade Brito⁴

¹Universidade Federal do Acre - m.marlo@yahoo.com.br;

²Embrapa Acre - giselle@cpafac.embrapa.br;

³Embrapa Agrobiologia - saggin@cpab.embrapa.br;

⁴União Educacional do Norte - hellen@cpafac.embrapa.br; flavinha_brito182@hotmail.com

Palavras-chave: *Arachis pintoi*, *Arachis repens*, banco de germoplasma, micorrizas.

O amendoim forrageiro (*A. pintoi*, *A. repens* e *A. glabrata*) é uma leguminosa que vem sendo recomendada para cobertura do solo e para a consorciação com gramíneas forrageiras tropicais. A associação do amendoim forrageiro com fungos micorrízicos arbusculares (FMAs) pode vir a reduzir as necessidades de adubação e auxiliar em seu estabelecimento. O objetivo deste estudo foi avaliar a dissimilaridade entre os acessos de amendoim forrageiro quanto à presença ou ausência de espécies de FMAs. Foi coletadas amostras de solo a 5 cm de profundidade (50 cm³), na zona da rizosfera de 45 acessos do Banco de germoplasma de amendoim forrageiro localizado na Embrapa Acre e analisadas na Embrapa Agrobiologia – RJ, sendo identificadas as espécies de FMAs a partir dos esporos obtidos nas amostras. A partir das 21 espécies de micorrizas identificadas, foi realizada análise multivariada, viabilizando o agrupamento dos genótipos de amendoim forrageiro mais similares em termos de presença ou ausência de espécies de FMAs. O índice de similaridade utilizado foi de coincidência simples (dados binários) e a análise de agrupamento foi realizada pelo método UPGMA (*Unweighted Paired Group Method using Arithmetic Averages*). Os 45 acessos de amendoim forrageiro formaram 17 grupos distintos a partir da análise do dendrograma obtido. Os acessos das espécies *A. pintoi*, *A. repens* e seus híbridos foram distribuídos entre os 17 grupos, havendo apenas a formação de três grupos com acessos exclusivos de *A. pintoi*, constituídos por 2, 3 e 4 acessos cada um. Adicionalmente, oito acessos apresentaram divergência suficiente para formar grupos com apenas um genótipo, com representantes de *A. pintoi*, *A. repens* e híbridos intraespecíficos de *A. pintoi*. Conclui-se que o grupo 01 formado por 8 acessos de amendoim forrageiros tendo representantes de *A. pintoi*, *A. repens* e seus híbridos apresenta maior dissimilaridade com o grupo 17 formado por 01 acesso de *A. repens*.

Fonte Financiadora: EMBRAPA, CNPq