



ESTIMATIVA DE PARÂMETROS GENÉTICOS EM PROGÊNIES DE *Myracrodruon urundeuva*

JOSÉ ARIMATÉIA RABELO MACHADO¹; WANDERLEY DOS SANTOS²;
DANILLA CRISTINA LEMOS SOUZA³; MIGUEL LUIZ MENEZES FREITAS⁴;
MÁRIO LUIZ TEIXEIRA DE MORAES⁵; ANANDA VIRGINIA DE AGUIAR⁶

¹Pesquisador, Chefe de Seção Técnica – Instituto Florestal de São Paulo. e-mail: j.rabelomachado@yahoo.com.br

²Doutorando em Agronomia – UNESP/ FEIS- Faculdade de Engenharia de Ilha Solteira–SP e-mail: wanderley.dossantos@hotmail.com

³Doutorando Ciência Florestal, Faculdade de ciências agrônômicas Campus de Botucatu e-mail: danillacls@yahoo.com.br

⁵Pesquisador, Diretor Geral-Instituto Florestal de São Paulo e-mail: miguellmfreitas@yahoo.com.br

⁵Prof. Dr. UNESP/FEIS- Faculdade de Engenharia de Ilha Solteira–SP e-mail: teixeira@agr.feis.unesp.br

⁶Pesquisadora, Embrapa Floresta, Colombo/PR, e-mail: ananda.aguiar@embrapa.br

RESUMO: O objetivo do trabalho foi estimar os parâmetros genéticos para o caráter Dap (diâmetro a altura do peito) em um teste de progênies de *Myracrodruon urundeuva*, procedência de Bauru, consorciado com *Peltophorum dubium* e *Esenbeckia leiocarpa*. O teste de progênies foi instalado na Floresta Estadual de Pederneiras (SP). Adotou-se o delineamento experimental em blocos completos casualizados com 22 progênies, 5 plantas por parcela e 5 blocos no espaçamento de 1,5 x 1,5m entre plantas e 3 x 3 m entre plantas da mesma espécie. Aos 22 anos após o plantio foi avaliado o Dap. As análises genéticas-estatísticas tiveram por base o modelo linear misto. Não foram constatadas diferenças significativas entre progênies pelo teste da razão de verossimilhança (LRT). O coeficiente de variação genética individual foi de 8,54% e entre progênies foi de 4,27%. O valor da acurácia, assumindo sobrevivência completa, para Dap foi considerada mediana (0,36). A herdabilidade média foi considerada baixa (0,13). A ausência de variância genética significativa para o caráter Dap indica a necessidade das coletas de sementes com um número maior de árvores matrizes para proporcionar uma população base para um progresso de melhoramento genético.

Palavras-chave: conservação genética; plantio misto; produção de sementes