



DIVERSIDADE GENÉTICA DA GRAMA-DO-CERRADO (*Mesosetum chaseae* Luces; Poaceae) UTILIZANDO MARCADORES MOLECULARES ISSR.

ANA CLARA DE SOUSA MEIRELLES¹; DEBORA DA SILVA²; ELIANE RODRIGUES MONTEIRO³; CLAUDETE APARECIDA MANGOLIN⁴; MARIA DE FATIMA PIRES DA SILVA MACHADO⁵; SANDRA APARECIDA SANTOS⁶.

¹Bióloga, Dsc. Bolsista DCR-FUNDECT/CNPq, e-mail: anameirelles83@gmail.com.

²Bióloga, Msc. Genética e Melhoramento, Universidade Estadual de Maringá, Maringá-PR, e-mail: dhebybio@gmail.com.

³Bióloga, Dsc. Genética e Melhoramento, Universidade Estadual de Maringá, Maringá-PR, e-mail: lirodrigues@gmail.com

⁴Professora da Universidade Estadual de Maringá, Departamento de Biologia Celular e Molecular, e-mail: cmangolin@uem.br

⁵Professora da Universidade Estadual de Maringá, Departamento de Biologia Celular e Molecular, e-mail: mfpsm@uem.br

⁶Pesquisadora- Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Pantanal, e-mail: sandra.santos@embrapa.br

Resumo: Objetivou-se estimar a diversidade genética da gramínea nativa *Mesosetum chaseae*, provenientes de 06 acessos (01, 04, 05, 08, 24 e 25) das sub-regiões do Pantanal e mantidos no Banco Ativo de Germoplasma de forrageiras nativas da Embrapa Pantanal. Os doze *primers* usados para as ISSR amplificaram 142 segmentos de DNA reproduzíveis. Os primers ISSR-3, ISSR-811, e ISSR-15 revelaram maiores números de segmentos amplificados. O polimorfismo ISSR, o índice de Shannon e a diversidade genética de Nei foram maiores nas amostras do acesso A4. O nível de divergência genética foi alto ($G_{ST} = 0,2838$), indicando que os acessos são amostras geneticamente estruturadas. No gráfico *bar plot* as 72 plantas foram organizadas em quatro grupos geneticamente estruturados. A organização do dendrograma mostrou a formação de dois grupos diferenciados bem definidos, que podem orientar cruzamentos e ampliar a base genética da espécie. O polimorfismo alto de ISSR e a estruturação de apenas seis acessos em quatro grupos são indicativos de um alto poder discriminatório das ISSR para diferenciar outros acessos da espécie *M. chaseae* mantidas no BAG da Embrapa Pantanal.

Palavras-chave: pastagens nativas, conservação de recursos genéticos, recursos genéticos.