

Desenvolvimento de SNP (*Single-Nucleotide Polymorphism*) para estudos de variação genética e estabelecimento de coleção nuclear em mamoeiro (*Carica papaya* L.)

Gilmara Alvarenga Fachardo Oliveira¹; Jorge Luiz Loyola Dantas²; Eder Jorge de Oliveira³

¹Estudante de Agronomia da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia; ²Pesquisador da Embrapa Mandioca e Fruticultura. E-mails: jorge.loyola@embrapa.br, eder.oliveira@embrapa.br

Marcadores moleculares têm sido utilizados em diversos estudos associados ao manejo, conservação e uso de recursos genéticos em diversas espécies. Entre os diversos tipos de marcadores existentes, o do tipo SNP (*Single-Nucleotide Polymorphism*) se destaca por possuir a capacidade de detecção de polimorfismo em praticamente todo o genoma. Esta característica faz desse tipo de marcador uma excelente opção para o estudo de diversidade genética de culturas com base genética estreita, como é o caso do mamoeiro. Assim, o objetivo deste projeto é desenvolver marcadores SNPs para a cultura do mamoeiro, visando estudos de diversidade genética, estrutura populacional e estabelecimento de uma coleção nuclear. Considerando a existência de diversidade intra-germoplasma no germoplasma de mamoeiro, foram selecionadas 285 plantas, por meio de análise fenotípica visual, oriundas de 97 acessos do Banco Ativo de Germoplasma de Mamão (BAG-Mamão) da Embrapa Mandioca e Fruticultura. Após a extração do DNA genômico total, a partir de folhas das plantas selecionadas, será feita a genotipagem por sequenciamento (*Genotyping by sequencing* - GBS). Para um melhor uso e conservação dos recursos genéticos do mamoeiro, os dados moleculares serão utilizados para estudos da diversidade genética do banco, da estrutura populacional utilizando análise Bayesiana, bem como para construção de coleção nuclear.

Palavras-chave: genotipagem por sequenciamento; diversidade genética; germoplasma
