



III Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

18 a 21 de novembro de 2014 Santos-SP

ISBN - 978-85-66836-07-3

DIVERSIDADE GENÉTICA EM GERGELIM USANDO MARCADOR RAPD

EVELINE DE SOUSA ARAÚJO¹; GEISENILMA MARIA GONÇALVES DA ROCHA¹; CÁSSIA DE SOUZA SIMÕES²; ANTÔNIO LOPES DE ARROXELAS GALVÃO FILHO³; FÁBIA SUELLY LIMA PINTO³; LIZIANE MARIA DE LIMA⁴; NAIR HELENA CASTRO ARRIEL⁴

¹ Bióloga, Pós-graduação em Ciências Agrárias, Universidade Estadual da Paraíba, Campina Grande - PB, e-mail: ive_sousa@hotmail.com; geisenilma@hotmail.com

² Bióloga, estudante de graduação, Universidade Estadual da Paraíba, Campina Grande - PB, e-mail: kassyadesouza@gmail.com

³ Técnico, Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Algodão, e-mail: a_arroxelas@hotmail.com; fabia.pinto@embrapa.br

⁴ Pesquisadora, Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Algodão, e-mail: liziane.lima@embrapa.br; nair.arriel@embrapa.br

Resumo: O gergelim (*Sesamum indicum* L.) apresenta um alto valor agrônômico em função das suas características de adaptação a diferentes condições edafoclimáticas de regiões tropical e subtropical. Esta oleaginosa possui também grande potencial econômico, além de ser um alimento de alto valor nutricional. Objetivou-se com esse trabalho avaliar a divergência genética utilizando o marcador molecular do tipo RAPD em quatro genótipos comerciais de gergelim da Embrapa Algodão. Foram coletadas amostras foliares e procedeu-se a extração do DNA genômico seguindo o método CTAB. A relação genética entre os genótipos de gergelim foi avaliada por meio de PCR, utilizando-se os iniciadores de sequências (5' GTGACGTAGG 3' e 5' TTCCGAACCC 3'). As análises de diversidade foram feitas com base no coeficiente de Jaccard e para representação dos grupos de genótipos, utilizou-se o agrupamento de UPGMA a partir de 47 marcas polimórficas e o método de Tocher. O tamanho dos fragmentos variou de 750 a 3000 pb. Apesar da diversidade restrita observada, o marcador RAPD possibilitou a diferenciação das quatro cultivares. A maior distância foi observada entre as cultivares G2 e BRS Seda, em relação às demais. A divergência molecular obtida corrobora com a variabilidade genética existente entre esses genótipos e suas respectivas características morfoagronômicas.

Palavras-chave: *Sesamum indicum*, divergência genética, marcador molecular.