



DIVERGÊNCIA GENÉTICA EM FEIJÃO-FAVA A PARTIR DE CARACTERES DA SEMENTE

LUCIANA DOS SANTOS ALMEIDA¹; NAIR HELENA CASTRO ARRIEL²;
FLÁVIO RANGEL DOS SANTOS ALMEIDA³; MARÍLIA LOBO BURLE²; FILLIPE
SILVEIRA MARINI⁴

¹ Agroecóloga, Pós-graduação em Ciências Agrárias (Agroecologia), Universidade Federal da Paraíba, Bananeiras - PB, e-mail: annalmeida.s@gmail.com

² Pesquisadora, Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa, e-mail: nair.arriel@embrapa.br; marilia.burle@embrapa.br

³ Agrônomo, Pós-graduação em Ciências do Solo, Universidade Federal da Paraíba, Areia - PB, e-mail: flaviorangel_agricola@hotmail.com

⁴ Professor da Universidade Federal da Paraíba, Bananeiras-PB e-mail: fsmarini@hotmail.com

Resumo: Estudos relacionados à diversidade genética de variedades de feijão-fava (*Phaseolus lunatus* L.) são importantes por permitirem a caracterização, o registro e a identificação de caracteres relevantes, assim como o acesso ao germoplasma disponível em busca de fontes de genes com boa resposta, principalmente quanto à qualidade e produtividade de sementes e adaptabilidade das variedades existentes. Objetivou-se neste trabalho, verificar a contribuição relativa dos caracteres morfoagronômicos relacionados à semente para caracterização da diversidade de diferentes acessos de feijão-fava cultivados no Estado da Paraíba, Brasil. Foram utilizados 20 acessos oriundos de diversas localidades do Estado, a caracterização foi realizada de acordo com o manual de descritores para *Phaseolus lunatus* L. do International Plant Genetic Resources Institute (IPGRI). As características analisadas foram o peso de 100 sementes, comprimento, largura e forma da semente, cor de fundo, cor padrão, segunda cor padrão e padrão do tegumento. Os dados obtidos foram avaliados no programa GENES. Em função da análise multivariada a partir do método de hierarquização, UPGMA, constatou-se alta diversidade entre os genótipos em função das características avaliadas, sendo que, o peso de 100 sementes (44,81%) e o padrão do tegumento (25,14%) foram as de maior contribuição para divergência genética entre as variedades avaliadas.

Palavras-chave: *Phaseolus lunatus*, morfoagronômicos, diversidade.