



III Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

18 a 21 de novembro de 2014 Santos-SP

ISBN - 978-85-66836-07-3

DIVERGÊNCIA GENÉTICA ENTRE ACESSOS DE MELANCIA DO BAG DA EMBRAPA SEMIÁRIDO, COM BASE EM DESCRITORES DA SEMENTE

T.L. NASCIMENTO¹; F.F. SOUZA²; R.C.S. DIAS²; E.T.S. BRITO¹; D.E.P.S. SANTOS¹; L.S. ARAUJO¹

¹Graduando em Ciências Biológicas, Universidade de Pernambuco, Petrolina (PE), e-mail: tiago_lim.a@hotmail.com

²Eng. Agr., pesquisador, Embrapa Semiárido, Petrolina (PE) e-mail: flavio.franca@embrapa.br

Resumo: Objetivou-se avaliar a divergência genética de acessos de melancia (*Citrullus lanatus*) do Banco Ativo de Germoplasma da Embrapa Semiárido, utilizando descritores quantitativos de sementes. Avaliaram-se os acessos: BRS Soleil; Casca Amarela; Omaru Yamato; Sugar Baby; BRS Opara; Jenny; Kodama; LDRO; Orange; Peacock e Charleston Tetra. Empregou-se delineamento inteiramente casualizado, com quatro repetições de 10 sementes. Os descritores empregados foram: comprimento (CS) e largura da semente (LS); relação CS/LS; espessura da semente (ES) e massa da semente (MS). Os dados foram submetidos à análise de variância e o agrupamento dos acessos foi realizado por meio da média aritmética não ponderada (UPGMA), com base na distância de Mahalanobis. Verificaram-se diferenças altamente significativas entre os acessos para todos os descritores, exceto CS/LS. Observaram-se as seguintes amplitudes: CS [3,98 – 11,45 mm], LS [2,60 – 7,28 mm], CS/LS [1,45 – 1,59], ES [1,53 – 2,25 mm] e MS [0,06 – 0,75 g]. A contribuição relativa dos descritores para a divergência genética foi de 43,4%, 29,7%, 23,0%, 3,76% e 0,56%, indicando que ES e CS/LS apresentaram baixo poder discriminatório e, portanto, não são descritores eficientes para caracterização de acessos de melancia. Três grupos foram formados: o primeiro foi composto por ‘Orange’, o segundo por ‘Jenny’ e ‘Kodama’ e o terceiro pelos demais acessos. Os acessos mais similares foram ‘Omaru Yamato’ e ‘BRS Opara’, enquanto os mais divergentes foram ‘Jenny’ e ‘Orange’.

Palavras-chave: *Citrullus lanatus*; análise multivariada