## Modelagem e desenvolvimento de interface web para banco de dados de genótipos e fenótipos de animais usando o framework Django e a linguagem Python

Eduarda Viana Podestá¹ Roberto Hiroshi Higa²

Para realizar avaliações genéticas em programas de melhoramento genético animal é necessário coletar e armazenar uma grande quantidade de dados de fenótipo, pedigree, genótipos, índices econômicos associados a sistemas de produção, entre outros; deixando-os disponíveis para posterior análise. Visando faciliar a manipulação de parte desses dados, decidiu-se por construir uma interface web para edição e visualização desses dados.

Como ferramentas de desenvolvimento, decidiu-se utilizar a linguagem Pythyon (PYTHON, 2014) e o *framework* Django (DJANGO, 2014). Este é um *framework* para desenvolvimento de aplicações web em Python, que reforça a a orientação a objetos, arquitetura de software Model – View – Control (MVC), um modelo de arquitetura de software que separa a aplicação em três partes distintas e responsáveis por tarefas diferentes: o Model, que é a camada que recebe, trata e valida os dados da aplicação; o Controller que decide o que vai ser requisitado do Model e o que vai ser enviado para a View, dependendo da ação especificada pelo usuário (GAMMA et al., 1994). Além de prover facilidades para o desenvolvimento de interfaces HTML (HTML, 2014) para a aplicação, o Djanto também provê funcionalidades para mapeamento objeto-relacional. O banco de dados da aplicação foi desenvolvido anteriormente e encontra-se descrito em (OLIVIERA et al., 2014); já o sistema gerenciador de banco de dados utilizado foi o PostgreSQL (POSTGRESQL, 2014).

A Figura 1 apresenta a página inicial da interface, que encontra-se em desenvolvimento. Esta compreende funcionalidades para realização de busca, inserção e ordenação dos dados, acessadas por meio de menu de opções. Como atividades futuras, está planejado a finalização do desenvolvimento da interface e sua validação junto aos usuários.

Palavras-chave: Animal, django, fenótipo, genótipo, interface, Python.



**Figura 1.** Página principal da interface de acesso ao banco de dados de genótipos e fenótipos de animais.

## Referências

DJANGO. **Django documentation**. Disponível em: <a href="https://docs.djangoproject.com/en/1.6/">https://docs.djangoproject.com/en/1.6/</a>. Acesso em: 26 set. 2014.

GAMMA, E.; HELM, R.; JOHNSON, R.; VLISSIDES, J. **Design patterns**: elements of reusable object-oriented software. Reading: Addison-Wesley,1995. 395 p. ill. (Addison-Wesley professional computing series)

HTML. HTML documentation. Disponível em: <a href="https://developer.mozilla.org/en-US/docs/Web/HTML">https://developer.mozilla.org/en-US/docs/Web/HTML</a>. Acesso em: 26 set. 2014.

OLIVEIRA, G. B.; DIAS, V. F.; PODESTÁ, E. V.; CORRÊA, J. L.; HIGA, R. H. Banco de dados de genótipos para melhoramento genético animal. In: CONGRESSO INTERINSTITUCIONAL DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA, 8., 2014, Campinas. **Anais**... Campinas: IAC, 2014. p. 1-2. CIIC 2014.

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup> Universidade Estadual de Campinas (Unicamp)

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup> Embrapa Informática Agropecuária

POSTGRESQL. PostgresSQL. Disponível em: <a href="http://www.postgresql.org/">http://www.postgresql.org/</a>. Acesso em: 26 set. 2014.

PYTHON. **Python documentation**. Disponível em: <a href="https://www.python.org/doc/">https://www.python.org/doc/</a>. Acesso em: 26 set. 2014.