

SIMPOSIO LATINOAMERICANO

**“DOMESTICACIÓN Y MANEJO DE
RECURSOS GENÉTICOS”**

Universidad Nacional Agraria La Molina

Lima-Perú

9 al 11 de Julio del 2015

VARIABILIDADE GENÉTICA EM PROGÊNIES DE PEQUIZEIRO PROVENIENTES DE OITO REGIÕES DO CERRADO BRASILEIRO

Nara Fernandes Moura^{1*}, Lázaro José Chaves², Ananda Virgínia De Aguiar³, Rosane Garcia Collevatti⁴.

¹Instituto Nacional de Pesquisas da Amazônia, Manaus, AM, Brasil.² Setor de Melhoramento de Plantas, Universidade Federal de Goiás, Brasil.³ Empresa Brasileira de Pesquisa em Agropecuária, Embrapa Florestas. ⁴ Instituto de Ciências Biológicas, Universidade Federal de Goiás, Brasil.

*Autor de correspondência: nara.moura@inpa.gov.br

Com o objetivo de estimar a variabilidade genética de *Caryocar brasiliense* em oito regiões do centro sul do Cerrado brasileiro, 165 progênies maternas foram genotipadas com seis locos microssatélites. Os seis locos microssatélites amplificaram 96 alelos, com média de 16 alelos por loco, e variação de 12 a 20. A heterozigosidade observada média \bar{H}_o foi de 0,75 (variando de 0,63 e 0,80) e a esperada (H_e) de 0,89 (variando de 0,85 e 0,93), indicando um nível alto de diversidade gênica entre os indivíduos pertencentes às oito regiões. Os valores da riqueza alélica (média de 4,6 alelos por loco) para as oito regiões foram semelhantes. A endogamia dos indivíduos dentro das regiões foi $F_{ST} = 0,108$ (IC 99% de 0,086 a 0,131) e inclui a variação entre subpopulações dentro de regiões. A divergência inter-regional $F_{ST} = 0,066$ foi significativa. Outro estudo avaliou a variação fenotípica de caracteres morfológicos, que inclui variação no tamanho de frutos (massa de fruto variando de 22,64 a 695,53 g), tempo de emergência de plântulas (variação de 37 dias a 186 dias), entre outros. Entre as regiões estudadas diferenças marcantes quanto a algumas destas características foram observadas. Isto recomenda que a amostragem de subpopulações para conservação *ex situ* cubra diferentes regiões de ocorrência da espécie.

Palavras-chave: Análise molecular, diversidade genética, *Caryocar brasiliense*.