



**ANÁLISE SIMULTÂNEA DE CARACTERES QUANTITATIVOS E QUALITATIVOS EM GENÓTIPOS DE MARACUJÁ**

CRISTINA DE FÁTIMA MACHADO<sup>(1)</sup> C.F.MACHADO; FÁBIO NASCIMENTO DE JESUS <sup>(2)</sup> F.N.JESUS; CARLOS ALBERTO DA SILVA LEDO <sup>(3)</sup> C.A.S.LEDO

1. Pesquisadora da Embrapa Mandioca e Fruticultura, E-mail: cristina.fatima-machado@embrapa.br
2. Estudante de Mestrado da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia, E-mail: fabiorock222@yahoo.com.br
3. Pesquisador da Embrapa Mandioca e Fruticultura, E-mail: carlos.ledo@embrapa.br

**RESUMO:** A análise conjunta de variáveis qualitativas e quantitativas tem sido apontada como uma ferramenta útil para uma estimativa mais robusta da diversidade genética entre os acessos de uma coleção de germoplasma. O objetivo do presente trabalho foi promover a análise simultânea de variáveis qualitativas e quantitativas e posterior agrupamento para definição da diversidade genética entre genótipos de maracujá por meio do algoritmo de Gower. Foram avaliadas 13 características qualitativas e 23 quantitativas em 22 acessos procedentes da Coleção de maracujá da Embrapa Mandioca e Fruticultura. Os dados foram analisados de forma conjunta pelo algoritmo de Gower, detectando-se variabilidade para as variáveis qualitativas e quantitativas. Os quatro grupos formados permitiram a distinção precisa de acessos de maracujazeiros. O coeficiente de correlação cofenético da análise conjunta foi altamente significativo ( $CCC = 0.94^{**}$ ) quando comparado com os coeficientes das análises individuais. Foi possível identificar que dentro de um mesmo grupo existe similaridade entre os acessos. Contudo, entre os grupos, pode-se inferir sobre a presença de variabilidade para os descritores mínimos utilizados, indicando que estes genótipos podem ser utilizados como parentais em programas de melhoramento genético. Portanto, a análise simultânea de variáveis qualitativas e quantitativas utilizando o algoritmo de Gower foi eficiente na avaliação da diversidade genética entre os genótipos de maracujazeiros quando comparado com as análises individuais dessas variáveis.

Palavras-chave: *Passiflora*, melhoramento genético, diversidade genética, algoritmo de Gower.

**Agradecimentos:** À FAPESB, pela concessão da bolsa/IC, e à Embrapa Mandioca e Fruticultura pela disposição do material vegetal e de laboratório para a realização das análises.