

Análise da diversidade de isolados de *Colletotrichum* obtidos de frutos do gênero *Capsicum*/ Genetic diversity of *Colletotrichum* strains obtained from fruit of the genus *Capsicum*. L.B. Almeida<sup>1</sup> lais.bentes@hotmail.com; R.E.Hanada<sup>1</sup>; N.R. Sousa<sup>2</sup>; G.F. Silva<sup>2</sup>.  
<sup>1</sup>Instituto Nacional de Pesquisas da Amazônia, CEP 69083-000, Manaus, AM. <sup>2</sup>Embrapa Amazônia Ocidental, Manaus, AM.

A região amazônica apresenta condições climáticas favoráveis ao desenvolvimento de doenças fúngicas como antracnoses, causadas por fungos do gênero *Colletotrichum*. Diversas são as ferramentas disponíveis para a caracterização e análise da diversidade genética em *Colletotrichum* spp., destacando-se os marcadores moleculares que são eficientes na inferência do risco causado por patógenos. O conhecimento da diversidade genética é fundamental para o desenvolvimento de estratégias de controle, portanto, objetivo do trabalho foi avaliar a diversidade genética de isolados de *Colletotrichum* de frutos do gênero *Capsicum* por meio de ERIC-PCR. Foram obtidas 94 culturas puras oriundas de frutos de pimentão, pimenta cheirosa e pimenta murupi de quatro municípios do Estado do Amazonas. Nas reações de PCR utilizaram-se os *primers* ERIC1/ERIC2 e o dendrograma foi gerado através do método UPGMA com base no coeficiente de similaridade de Jaccard. As 36 bandas polimórficas analisadas indicaram alta diversidade da população, onde os 94 isolados foram distribuídos em 22 grupos no dendrograma, dos quais os que apresentaram maior diversidade foram os isolados de Manacapuru. O grupo de maior similaridade foi composto por 69 isolados coletados nos municípios de Iranduba, Presidente Figueiredo e Rio Preto da Eva. Não houve associação do padrão de agrupamento genético com o hospedeiro ou origem geográfica, confirmando a baixa especificidade patogênica e distribuição cosmopolita do gênero.

**Palavras-chave:** antracnose, variabilidade genética, ERIC-PCR