

COMPONENTES DE VARIÂNCIA E PARÂMETROS GENÉTICOS DE VARIEDADES TRADICIONAIS DE FEIJÃO-CAUPI

Luiara Paiva Gomes¹; Francisca S. S. Nascimento²; Vanderley Borges³; José Tadeu Marinho⁴;
Amauri Siviero⁴; Rosana Cavalcante dos Santos⁵;

¹Bióloga, Mestranda em Genética e Melhoramento Vegetal - UFAC/Rio Branco-AC/Brasil. Bolsista CAPES - email: luiara.gomes@hotmail.com; ²Estudante de Agronomia/Bolsista PIBIC-UFAC/Rio Branco-AC/Brasil; ³Professor, Universidade Federal do Acre, Rio Branco-AC/Brasil; ³Pesquisador, Embrapa Acre, Rio Branco-AC/Brasil; ⁵Professora Instituto Federal do Acre - Rio Branco-AC/Brasil

O conhecimento das estimativas dos componentes da variância e parâmetros genéticos tem importância nos trabalhos de melhoramento vegetal, pois permitem a utilização de estratégias apropriadas para se obter sucesso na seleção de genótipos superiores. Para a obtenção destas estimativas podem ser utilizados alguns procedimentos como a avaliação por testes de linhagens. Estimativas dos componentes de variância genética em variedades tradicionais são restritas na literatura, portanto, é necessária realizar trabalhos para obtenção destas estimativas para que se possam realizar inferências precisas sobre a utilização deste tipo de população em programas de melhoramento. O presente trabalho objetivou-se a obtenção das estimativas dos componentes de variância e parâmetros genéticos entre sete variedades tradicionais de feijão-caupi cultivadas no Acre. O experimento foi realizado em área experimental da Embrapa Acre. O delineamento utilizado foi de blocos completos casualizados com quatro repetições e parcelas compostas por duas fileiras de cinco metros. As variedades avaliadas foram Gorgotuba vermelho, Rosinha, Gorgotuba branco, Enxofre, Feijão preto, Peruano amarelo e Peruano vermelho. As variáveis analisadas foram: comprimento de vagens, massa de 100 sementes, grão por vagens e massa total de parcelas. A análise de deviance mostrou efeito significativo de genótipo apenas para massa de 100 grãos, indicando que as variedades devem possuir grande número de locos em heterozigose. Verifica-se que as estimativas de variâncias genéticas entre as diferentes variáveis para os diferentes tipos de linhagens foram de altas magnitudes, no caso da massa de 100 sementes a V_g foi a que mais contribuiu para a v_f . Nas demais variáveis, a baixa estimativa da V_g em relação a V_e foi devido a algumas perdas de parcelas no experimento. As perdas foram em decorrência da baixa germinabilidade e qualidade sanitária das sementes, pois as mesmas foram coletadas em mercados públicos, feiras livres e de pequenos produtores. A herdabilidade de parcelas individuais no sentido amplo, ou dos efeitos genotípicos totais e a herdabilidade da média de genótipo, assumindo ausência de perda de parcelas, apresentaram valores comuns aos estimados comumente para as variáveis em análise. O CV ambiental com estimativas elevadas foi em decorrência da ausência de algumas parcelas em campo. A acurácia da seleção de genótipos, assumindo ausência de perda de parcelas apresentaram-se estimativas elevadas, garantindo o sucesso com a seleção. Apenas para massa total de parcelas a acurácia foi abaixo de 33% (que representa 1/3 do total). Os coeficientes de variação genotípica indicam boa variação genética, mostrando o potencial de se utilizar essas variedades para seleção ou de se obter em curto prazo combinações híbridas superiores aos genitores. As estimativas obtidas possibilitam inferir que as variedades tradicionais de feijão-caupi são promissoras para programas de melhoramento genético, seja ele por algum tipo de seleção ou por hibridação.

Palavras-chave: Melhoramento de caupi; seleção em caupi; *Vigna unguiculata*.

Apoio Financeiro: CNPq, CAPES