

## Variabilidade alélica de genes candidatos expressos sob déficit hídrico em arroz

*Daniany Rodrigues Adorno<sup>1</sup>, Paula Arielle Valdisser<sup>2</sup>, Rosana Vianello<sup>3</sup>, Claudio Brondani<sup>3</sup>*

A seca é um fator ambiental que limita a produção das culturas, como a do arroz de terras altas (*Oryza sativa* L.). A variabilidade genética de genes relacionados à tolerância à seca em arroz não tem sido descrita na mesma proporção em que esses genes têm sido identificados e validados. Essa variabilidade permite que sejam desenvolvidas estratégias de seleção assistida para o desenvolvimento de cultivares mais tolerantes à seca em arroz. Este trabalho tem como objetivo identificar variabilidade alélica de genes previamente relacionados à tolerância à seca em estudo conduzido previamente no CNPAF. Foram desenvolvidos marcadores para o sequenciamento de 14 genes em 8 genótipos tolerantes e 8 suscetíveis à seca, com a finalidade de otimizar as condições da reação de sequenciamento. Para a maioria desses locos foi possível identificar uma clara divisão entre os acessos tolerantes e suscetíveis em dendrograma baseado na similaridade de sequências. No momento a análise está sendo estendida para 20 acessos tolerantes e 20 suscetíveis de ampla base genética, com a finalidade de selecionar os genótipos com alelos de sequência genômica mais divergente. Esses acessos serão avaliados em ensaio de déficit hídrico para validar a efetividade dos alelos em conferir tolerância à seca.

<sup>1</sup> Estudante de Graduação em Agronomia na Universidade Federal de Goiás. Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, daniany.rodrigues@gmail.com

<sup>2</sup> Analista, Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, paula.valdisser@embrapa.br

<sup>3</sup> Doutor em Ciências Biológicas, pesquisador da Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, claudio.brondani@embrapa.br; rosana.vianello@embrapa.br