



I CONGRESSO REGIONAL DE PESQUISA DO ESTADO DO ACRE
XXIV SEMINÁRIO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFAC
CNPQ | UFAC | EMBRAPA | FAPAC | IEVAL

A COLEÇÃO NUCLEAR DE GERMOPLASMA DE AMENDOIM FORRAGEIRO

Hellen Sandra Freires da Silva Azêvedo (Doutoranda da rede BIONORTE), Jaire Alves Filho (Doutorando - UNICAMP), Adna Cristina Barbosa de Sousa (Docente - UFPB), Giselle Mariano Lessa de Assis (Pesquisadora - Embrapa Acre), Tatiana de Campos (Pesquisadora - Embrapa Acre)

A conservação da diversidade do gênero *Arachis* em bancos de germoplasma (BAG) pode ser encontrada na Índia, Estados Unidos, Argentina, Bolívia, Brasil e Colômbia. No Brasil, o banco de germoplasma apresenta mais de 1.280 acessos de espécies do gênero *Arachis* e abrange 74 das 81 espécies descritas do gênero. Atualmente, mais de 150 acessos de amendoim forrageiro da secção *Caulorrhizae* (*A. pintoi* e *A. repens*) já foram coletados em diversas regiões brasileiras e são mantidos em banco de germoplasma. As coleções nucleares são constituídas por um grupo limitado de acessos, derivados de uma coleção de germoplasma, escolhidos para representar a variabilidade genética da coleção inteira. O objetivo do trabalho foi determinar a coleção nuclear do BAG de amendoim forrageiro da Embrapa Acre, por meio de marcadores microssatélites. O estudo foi realizado com 84 acessos de *A. pintoi* e 23 acessos de *A. repens*. Foram utilizados 10 microssatélites. Os fragmentos amplificados foram separados em gel desnaturante de poliácridamida (5%). Após a corrida, foi realizada a coloração com nitrato de prata. O software CoreFinder, foi utilizado para determinar a coleção nuclear. Foram verificados 192 alelos nos 10 locos microssatélites, que estão representados por 41 acessos. Destes, 33 acessos são da espécie *A. pintoi* e oito acessos da espécie *A. repens*. Esta análise considerou o número de genótipos necessários para conservação de 100% da diversidade genética encontrada a partir dos dados moleculares. Assim, esta coleção seria representada por aproximadamente 39% do total de acessos do BAG. Ao fixar a representação de 70% da diversidade genética, a análise indica que 15 genótipos (15% da subamostra) compõem a coleção nuclear, sendo 13 acessos de *A. pintoi* e um acesso de *A. repens*. Brown e Spillane (1999) sugerem que o tamanho da coleção nuclear deve representar de 5% a 15% da coleção total. Alguns acessos que constituíram a coleção nuclear apresentam características contrastantes quando avaliados com outros acessos BAG. O acesso BRA 012122 apresentou maior média para o comprimento do folíolo basal. O BRA 031097 é o único acesso do BAG que apresenta flor de cor branca e o acesso BRA 031143 apresenta florescimento precoce. O BRA 031828 cv. Belmonte diferencia-se por ser propagado vegetativamente e produz poucas sementes. A identificação de uma coleção nuclear em um banco de germoplasma é de extrema importância, pois vai reunir a maior variabilidade genética de uma espécie no menor número possível de genótipos.

Palavras-chave: Secção *Caulorrhizae*. Banco de germoplasma. Marcadores moleculares.

