

Detecção e caracterização molecular de vírus em feijão-caupi no estado do Pará / Detection and molecular characterization of virus in cowpea in Para State. E.C.S. Rodrigues<sup>1</sup>; A.J. Boari<sup>2</sup>; N.H.T. da Ponte<sup>1</sup>. <sup>1</sup>UFRA, Belém, PA; <sup>2</sup>Embrapa Amazônia Oriental, CEP 66095-100, Belém, PA.

A cultura do feijão-caupi inclui variedades dos cultigrupos Unguiculata, compreendendo a quase totalidade das cultivares locais e melhoradas, para produção de feijão verde e feijão seco, e Sesquipedalis, para produção de vagem, o qual é conhecido como feijão-de-metro. Esta cultura pode ser afetada por várias doenças, em especial as viroses. Dentre as espécies de vírus que infectam o feijão-caupi, no Brasil, destacam-se: *Cucumber mosaic virus* (CMV), *Cowpea aphid-borne mosaic virus* (CABMV), *Cowpea severe mosaic virus* (CPSMV) e *Cowpea golden mosaic virus* (CPGMV). Como é comum observar sintomas de viroses em vários plantios no estado do Pará, o presente trabalho teve como objetivo fazer o levantamento das espécies virais e a caracterização molecular do vírus predominante. Foram analisadas, por meio do teste PTA-ELISA, 177 amostras de plantas com e sem sintomas de viroses, provenientes de treze municípios. Isolados de CABMV tiveram seu DNA amplificado por meio de RT-PCR e sequenciados diretamente para avaliação de diversidade genética, comparando as sequências de nucleotídeos e aminoácidos com os acessos disponíveis no *GenBank*. O teste sorológico detectou a presença do CABMV, CMV, e CpSMV em 65, 5 e 4 amostras, respectivamente. O CABMV é o vírus predominante no estado do Pará. As sequências dos quatorze isolados de CABMV apresentaram identidade de 79-98% para nucleotídeos e de 93-100% para aminoácidos, quando comparados com isolados dessa espécie, obtidos do *GenBank*. Os isolados dos cultigrupos Sesquipedalis e Unguiculata se agruparam em ramos diferentes na árvore filogenética de nucleotídeos.

**Palavras-chave:** *Vigna unguiculata*, CMV, CABMV e CpSMV