



IV CONAC

CONGRESSO NACIONAL DE
FEIJÃO-CAUPI

FEIJÃO-CAUPI:

AVANÇOS E DESAFIOS TECNOLÓGICOS E DE MERCADOS

RESUMOS



Embrapa

Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária
Embrapa Meio-Norte
Ministério da Agricultura, Pecuária e Abastecimento

RESUMOS

IV Congresso Nacional de Feijão-caupi

Feijão-caupi: avanços e desafios tecnológicos e de mercados

Sorriso - MT, 7 a 10 de junho de 2016

Divergência genética entre acessos de feijão-caupi por meio de análise multivariada

Genetic divergence among cowpea accessions by multivariate analysis

Luiara Paiva Gomes⁽¹⁾, Hermeson Nunes de Azevedo⁽¹⁾, Márcia Silva de Mendonça⁽¹⁾, André Marques de Araújo⁽¹⁾, Vanderley Borges dos Santos⁽¹⁾, Suely Ribeiro Lima⁽¹⁾ e José Tadeu de Souza Marinho⁽²⁾

⁽¹⁾ Universidade Federal do Acre - UFAC, BR-364, S/N, Distrito Industrial, CEP 69920-900 Rio Branco, AC. E-mail: gomesluiara@gmail.com, boges.v@gmail.com, hermes_30stmars@hotmail.com, marcia.mendonca2@gmail.com, andrearaujo.vencedor@hotmail.com, suelyribeiro21@gmail.com.

⁽²⁾ Embrapa Acre, Rodovia BR-364, Km 14 (Rio Branco/Porto Velho), Caixa Postal 321, CEP 69900-970 Rio Branco, AC. E-mail: tadeu.marinho@embrapa.br

A diversidade genética das populações fornece bases para a identificação de indivíduos divergentes, auxiliando ao melhorista selecionar combinações mais promissoras e favoráveis. Assim, objetivou-se verificar a divergência genética entre 20 acessos de feijão-caupi por meio da análise multivariada. O experimento foi conduzido no campo experimental da UFAC em Rio Branco, Acre. O delineamento utilizado foi em blocos casualizados com 20 acessos (15 linhagens e 5 variedades) e quatro repetições. Foram avaliados os caracteres: massa de cinco vagens (M5V), índice de grãos (IG), massa de grãos de cinco vagens (MG5V), comprimento de cinco vagens (C5V) e massa de 100 grãos (M100G). Os resultados foram obtidos a partir da combinação da distância generalizada de Mahalanobis com o método de otimização de Tocher. Houve formação de seis grupos, sendo que o primeiro grupo obteve o maior número de acessos (6), enquanto que o último grupo obteve apenas um acesso. Constatou-se ainda divergência genética entre os genótipos, indicando que houve variabilidade em relação aos caracteres de interesse. A maior divergência foi verificada entre a cultivar BRS Tumucumaque e a linhagem MNC04-762F-3, enquanto que a linhagem MNC04-792F-143 e a cultivar BRS Tumucumaque apresentaram maior similaridade. Observou-se que o caráter M100G respondeu pela maior parte da divergência genética existente entre os acessos (57,36%), enquanto que IG (18,45%), M5V (14,99%), C5V (4,96%) e MG5V (4,24%) são as que menos contribuem para a divergência. Portanto, há divergência genética entre os acessos do feijão-caupi avaliados, o que é indicativo da presença de variabilidade para a seleção de genótipos superiores.

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, variabilidade, seleção.

Agradecimentos: Capes, CNPq, Embrapa Acre e UFAC.