



DIVERSIDADE GENÉTICA DE MATRIZES DE AÇAIZEIRO (*Euterpe precatória*) POR MEIO DE MARCADORES MICROSSATÉLITES

Hellen Sandra Freires da Silva Azêvedo¹; Polinar Bandeira Rufino²; Fernanda Dantas Benvindo³; Susana Maria Mello Silva³; Jonatas Chagas de Oliveira³; Lucielio Manoel da Silva⁴; Tatiana de Campos⁴

¹Outras, Porto Velho/Rondônia. E-mail: hellenfreires@gmail.com

²FAMETA, Rio Branco/Acre

³Universidade Federal do Acre, Rio Branco/Acre

⁴EMBRAPA, Rio Branco/Acre

RESUMO: O açaizeiro (*Euterpe precatória*) é de origem amazônica e destaca-se entre os diversos recursos biológicos pela sua abundância e por produzir um importante alimento: “suco de açaí”. A extração dos frutos do açaizeiro retira uma grande quantidade de sementes da floresta e por isso, o uso comercial pode causar perda da diversidade da espécie, podendo resultar em efeitos negativos sobre a estrutura genética das populações. O objetivo do estudo foi analisar a diversidade genética de matrizes de açaizeiro por meio de marcadores microssatélites. Foram coletados folíolos maduros de 46 matrizes na reserva indígena Kaxinawá de Nova Olinda, Feijó-AC. As extrações de DNA foram realizadas na Embrapa Acre. A avaliação da diversidade genética foi realizada através dos índices heterozigosidade esperada (HE) e observada (HO), distâncias genéticas modificada de Rogers foram analisadas no software TFPGA e usada na construção de dendrograma pelo critério de agrupamento UPGMA. Os locos EE8 e EE54 foram utilizados para a genotipagem. Foram identificados um total 11 alelos. Os valores de HE variaram de 0,600 (EE8) a 0,778 (EE54) e os de HO variaram de 0,260 (EE8) a 0,565 (EE54). Foram observados 23 matrizes com zero de distância e matrizes com 0,9354 de distância genética. Através do dendrograma foi possível observar baixa diversidade genética, porém vale ressaltar que o estudo foi realizado apenas com dois locos e por isso, apresentou muitas matrizes com o mesmo perfil alélico. Porém, estudos estão sendo conduzidos com mais locos para ser ter a real diversidade da espécie na população estudada.

PALAVRAS-CHAVE: Análise molecular, Palmeira, Conservação