

## Triagem fenotípica *in silico* da espécie forrageira *Paspalum urvillei* Steud visando seleção de genitores

Jéferson Ferronato<sup>1</sup>; Leandro Gonçalves<sup>2</sup>; Maurício Marini Kopp<sup>3</sup>; Ana Cristina Mazzocato<sup>3</sup>; Juliano Lino Ferreira<sup>3</sup>

O *Paspalum urvillei* é uma espécie nativa dos campos subtropicais do Brasil e em alguns países da América do Sul. Atualmente está presente em praticamente todos os continentes. O objetivo deste trabalho foi avaliar a variabilidade genética do banco de germoplasma internacional de *P. urvillei*. Neste contexto, foram usados dados, disponibilizados em acesso livre na plataforma *Germplasm Resources Information Network* do United States Department of Agriculture (USDA), compreendendo 12 variáveis morfológicas de interesse zootécnico, estudadas em 57 acessos oriundos de 8 países, sendo 34 acessos oriundos do Brasil, concentrados no Rio Grande do Sul, coletados nas décadas de 1950 e 1960. As variáveis quantitativas foram categorizadas em classes, cujos limites compreendia 1 desvio-padrão de magnitude. Ao passo que, as variáveis qualitativas receberam a codificação da escala original dada pelo USDA. A partir desta codificação, os dados foram submetidos a análise multivariada por meio do software *GenAlex* v.6.41 e *Structure* v.2.3.4. A análise dos perfis multivariados demonstrou a existência de 13 acessos que tiveram, pelo menos, um perfil sinônimo, sendo que os demais 44 acessos tiveram perfis únicos. A dispersão bi-dimensional evidencia um bom nível de variabilidade genética, com uma excelente estruturação bayesiana. Os genótipos do Rio Grande do Sul compreendem praticamente um mesmo grupo, com exceção da Serra Gaúcha e Santa Catarina. Assim, nestes locais existem genitores com alto potencial heterótico. Além disso, tem-se a possibilidade de intercâmbio com outros países de genótipos contrastantes. Dessa maneira, conclui-se que existem reais possibilidades de ganho e agregação de valor na espécie.

**Palavras-chave:** diversidade genética; análise multivariada; ideótipo; germoplasma; genética quantitativa.

<sup>1</sup> Acadêmico do Curso de Engenharia de Energia, UNIPAMPA, Bolsista FAPERGS. jeferronato@hotmail.com.br

<sup>2</sup> Acadêmico do Curso de Ciências Biológicas, URCAMP, Bolsista CNPq. leandro\_gl@outlook.com

<sup>3</sup> Pesquisadores da Embrapa Pecuária Sul, Bagé, RS. mauricio.kopp@embrapa.br; ana.mazzocato@embrapa.br; juliano.ferreira@embrapa.br davidcougos@hotmail.com.