

Comprimento de vagem e índice de grãos de genótipos de feijão-caupi de porte semiprostrado em ambientes de Mato Grosso e Minas Gerais

Pod length and grain index of semi-prostrate cowpea genotypes in Mato Grosso and Minas Gerais environments

Vanet Batista de Souza⁽¹⁾, Abner José de Carvalho⁽²⁾, Orlando Gonçalves Brito⁽³⁾, Marina Borges de Oliveira Silva⁽²⁾, Maurisrael de Moura Rocha⁽⁴⁾, Kaesel Jackson Damasceno-Silva⁽⁴⁾ e Israel Alexandre Pereira Filho⁽⁵⁾

⁽¹⁾ Universidade Estadual de Maringá - UEM, Av. Colombo, CEP 87020-900 Maringá, PR. E-mail: vanetbatista@yahoo.com.br

⁽²⁾ Universidade Estadual de Montes Claros – UNIMONTES, Campus de Janaúba, Caixa Postal 91, CEP 39440-000 Janaúba, MG. E-mail: abjocar@yahoo.com.br, mariunim@yahoo.com.br

⁽³⁾ Universidade Federal dos Vales do Jequitinhonha e Mucuri – UFVJM, Rua do Cruzeiro, 01, Jardim São Paulo, CEP 39803-371 Teófilo Otoni, MG. E-mail: orlandocefet@yahoo.com.br

⁽⁴⁾ Embrapa Meio-Norte, Av. Duque de Caxias, 5650, Caixa Postal 01, CEP 64006-220 Teresina, PI. E-mail: kaesel.damasceno@embrapa.br, maurisrael.rocha@embrapa.br

⁽⁵⁾ Embrapa Milho e Sorgo, Rod. MG 424, Km 45, Zona Rural, CEP 35701-970 Sete Lagoas, MG. E-mail: israel.pereira@embrapa.br

O feijão-caupi é de grande importância para a economia das regiões Norte e Nordeste do Brasil por se constituir em uma importante fonte de alimento. Alguns produtores têm preferência por genótipos de porte prostrado por propiciarem colheita escalonada, apresentarem maior vigor e boa adaptação em cultivos com menor uso de tecnologia. Assim, objetivou-se com este trabalho avaliar o comprimento de vagem e o índice de grãos de genótipos de feijão-caupi em cinco ambientes de Mato Grosso e Minas Gerais. Os ensaios foram compostos por 20 genótipos de feijão-caupi de porte semiprostrado. Adotou-se o delineamento experimental em blocos ao acaso, com vinte tratamentos e quatro repetições. O comprimento médio das vagens foi estimado medindo-se 20 vagens escolhidas aleatoriamente por ocasião da colheita. O índice de grãos foi obtido por meio do quociente entre o peso dos grãos e o peso das vagens não debulhadas. Os dados obtidos foram submetidos a análises de variâncias conjuntas, envolvendo todos os ambientes em estudo. Os genótipos MNC04-769F-31, MNC04-792F-129 e BRS Pujante apresentaram os maiores valores de comprimento de vagens, com valores superiores a 21 cm. Em relação ao índice de grãos, em Jaíba-MG a cultivar BRS Pajeú alcançou valor acima de 80%. Em Sete Lagoas-MG e Nova Ubiratã-MT destacaram-se onze e oito genótipos, respectivamente, que alcançaram valores superiores a 80%. Estes resultados sugerem a possibilidade de seleção de genótipos com maior comprimento de vagem e com maior eficiência na produção de grãos, em detrimento da produção de vagens.

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, tamanho da vagem, rendimento de grãos.

Agradecimentos: FAPEMIG, UEM, UFVJM, Capes, CNPq, Embrapa Meio-Norte e UNIMONTES.