

## **Cruzamentos dialélicos para resistência a *Macrophomina phaseolina* e a *Thanatephorus cucumeris* em feijão-caupi**

### **Diallel crosses for resistance to *Macrophomina phaseolina* and *Thanatephorus cucumeris* in cowpea**

Laíze Raphaele Lemos Lima<sup>(1)</sup>, Kaesel Jackson Damasceno-Silva<sup>(2)</sup>, Marissônia de Araújo Noronha<sup>(3)</sup>, Daniel Augusto Schurt<sup>(4)</sup>, José Ângelo Nogueira de Menezes-Júnior<sup>(2)</sup> e Maurisrael de Moura Rocha<sup>(2)</sup>

<sup>(1)</sup> Programa de Pós-Graduação em Genética e Melhoramento, Universidade Estadual de Maringá, CEP 80720-900 Maringá, PR. E-mail: dra\_lemos@hotmail.com

<sup>(2)</sup> Embrapa Meio-Norte, Caixa Postal 01, CEP 64006-220 Teresina, PI. E-mail: kaesel.damasceno@embrapa.br, jose-angelo.junior@embrapa.br, maurisrael.rocha@embrapa.br

<sup>(3)</sup> Embrapa Tabuleiros Costeiros, Caixa Postal 44, CEP 49025-040 Aracaju, SE. E-mail: marissonia.noronha@embrapa.br

<sup>(4)</sup> Embrapa Roraima, Caixa Postal 133, CEP 69301-970 Boa Vista, RR. E-mail: daniel.schurt@embrapa.br

Dentre as principais causas de redução na produtividade de feijão-caupi, as doenças fúngicas destacam-se por influenciar negativamente a qualidade dos grãos. Nesse caso, a adoção de cultivares resistentes é a principal estratégia de controle. Objetivou-se identificar e selecionar genitores para obter populações segregantes de feijão-caupi resistentes a *Macrophomina phaseolina* e a *Thanatephorus cucumeris* simultaneamente. Quatorze genótipos resistentes a *T. cucumeris*, foram cruzados com cinco genótipos resistentes a *M. phaseolina* em esquema de diallelo parcial 14 x 5 em 2013 e 2014. As 70 populações F<sub>2</sub> foram avaliadas juntamente com os 19 genitores, de acordo com o modelo de diallelo parcial proposto por Geraldi e Miranda Filho (1988), em casa de vegetação quanto à reação aos patógenos. Foram analisadas a capacidade geral (CGC) e específica de combinação (CEC). Os efeitos aditivos predominaram no controle genético das características severidade da podridão-cinzenta-do-caule (*M. phaseolina*) e área abaixo da curva do progresso da doença (*T. cucumeris*), indicando a possibilidade de ganho com a seleção de linhagens derivadas dos cruzamentos entre os parentais testados. Analisando simultaneamente, os dois patossistemas, os genitores de maior CGC foram: BR 14-Mulato, BRS Tumucumaque e BRS Guariba, indicando maior número de alelos favoráveis. Já as melhores CEC, foram: BR 14-Mulato x MNC02-675F-4-10, BRS Tumucumaque x IT98K-1092-1, BRS Tumucumaque x MNC02-675F-4-10, BRS Tumucumaque x MNC02-675F-9-2, BRS Guariba x IT98K-1092-1, BRS Guariba x MNC02-675F-4-9 e BRS Guariba x MNC02-675F-4-10. Essas combinações deram origem a populações promissoras para a obtenção de linhagens resistentes a *M. phaseolina* e a *T. cucumeris* em feijão-caupi, simultaneamente.

**Palavras-chave:** *Vigna unguiculata*, diallelo parcial, podridão-cinzenta-do-caule.

**Agradecimentos:** A CAPES e a FAPEPI pela concessão da bolsa de estudos e a Embrapa Meio-Norte e a Embrapa Roraima, pelo auxílio financeiro ao projeto de pesquisa.