



XL CONGRESSO PAULISTA DE FITOPATOLOGIA

Instituto Agrônômico - Campinas, SP

7 a 9 de Fevereiro de 2017

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR DE *Lasiodiplodia parva* ASSOCIADO AO CAMUCAMUZEIRO/
Molecular identification of *Lasiodiplodia parva* associated to camucamuzeiro. S.V.D. Cardoso¹, A.K.N. Ishida², I.B.L. Coutinho³, S.C. Ferreira¹, A.J. Boari². ¹Universidade Federal Rural da Amazônia, sandravaléria_cardoso@hotmail.com; ²Embrapa Amazônia Oriental; ³Universidade Federal do Ceará.

Espécies do gênero *Lasiodiplodia* são capazes de causar diferentes sintomas nas plantas infectadas, incluindo a seca descendente, cancro e lesões em diferentes partes da planta, além de incitar a morte de mudas e enxertos de diversos hospedeiros. Objetivou-se, neste trabalho, identificar uma espécie do gênero *Lasiodiplodia* associada à seca dos ramos de plantas de camucamuzeiro baseados em dados filogenéticos. O isolado de *Lasiodiplodia* sp. foi obtido de plantas com sintomas de seca dos ramos, provenientes do campo experimental da Embrapa Amazônia Oriental. Foi realizada PCR utilizando os primers das regiões ITS (ITS4 e ITS5) e fator de alongação (EF1-688F e EF1-1251R), em seguida a purificação e sequenciamento do produto do PCR. As sequências obtidas foram comparadas com acessos disponíveis no *GenBank* via programas Blastn, ClustalW e Mega 6.0, e analisadas pelo método de máxima parcimônia. Diante da análise filogenética realizada, verificou-se a formação de um clado suportado por 94% de *bootstrap* do isolado deste estudo com os acessos de *Lasiodiplodia parva* disponíveis no GenBank. Assim, a espécie associada à seca dos ramos do camucamuzeiro caracteriza-se filogeneticamente como *Lasiodiplodia parva*.