

FENOTIPAGEM DE POPULAÇÃO DE LINHAGENS DUPLO-HAPLOIDES DE TRIGO QUANTO À RESISTÊNCIA A *Magnaporthe oryzae*

Gabriela Andriolio Camilotti¹; Jéssica Rosset Ferreira²; Hebert Hernán Soto-González³; Gisele Abigail Montan Torres^{4,5}; Luciano Consoli⁴; Sandra Maria Mansur Scagliusi⁴

¹Acadêmica do curso de Biologia, UPF, Bolsista CNPq-PIBIC. ²Doutoranda do Programa de Pós-Graduação em Agronomia, Universidade de Passo Fundo (UPF), Bolsista Capes. ³Pós-doutorando PNPQ-CNPq. ⁴Pesquisador(a) da Embrapa Trigo. ⁵Orientadora.

A brusone de trigo é uma severa doença que afeta as espigas e que é causada pelo fungo *Magnaporthe oryzae*. Desde o seu primeiro relato no Brasil, é constante a busca por fontes de resistência ao patógeno. Apesar da identificação de genótipos resistentes, pouco ainda se sabe sobre as bases genéticas e os mecanismos de resistência envolvidos. Na Embrapa Trigo, em 2011, foi realizado o cruzamento de dois genótipos de trigo altamente contrastantes quanto ao desenvolvimento da doença nas espigas. A cultivar BRS 209, altamente suscetível à brusone, foi empregada como parental materno, e o trigo sintético proveniente do CIMMYT CBFusarium ENT014, resistente, como parental paterno. Com o uso da técnica da cultura de micrósoros, foram desenvolvidas 134 linhagens duplo-haploides. Neste trabalho, linhagens desta população submetidas à inoculação foram caracterizadas quanto à severidade de brusone nas folhas bandeira e quanto à presença de pontos de infecção na ráquis. A inoculação foi realizada com suspensão de esporos do isolado Py 6025 com concentração de 2×10^5 esporos/ml, em plantas no estágio 58 da escala de Zadoks et al., com quatro repetições por genótipo, sob condições de ambiente controlado. Entre sete e dez dias após a inoculação, as folhas bandeira foram coletadas para fins de análise de imagem com auxílio do programa ImageJ. Após a colheita das espigas, foi feita a trilha manual para avaliação da produção de grãos e identificação de pontos de infecção nas ráquis. Tanto para severidade de brusone na folha bandeira, quanto para número de pontos de infecção na ráquis, os parentais apresentaram valores altamente contrastantes, indicando o potencial de uso desta população para estudos genéticos. Os dados gerados estão sendo analisados e serão considerados para fins de mapeamento de genes/QTLs de resistência à infecção por *M. oryzae* na população Embrapa-brusone.

Palavras-chave: brusone, severidade, ponto de infecção.

Apoio: Embrapa (Wheat BGI n. 02.08.01.006.00.00; WheatBGI n. 02.11.08.004.00.00); CNPq (560550/2010-3); CNPq-PIBIC (45125/2016-5); Capes-Embrapa; PNPQ-CNPq (159540/2010-0).