



**Paula Fernanda Viegas Pinheiro
Tatianne Feitosa Soares
Organizadoras**

**ANAIS DO XV SEMINÁRIO DE INICIAÇÃO
CIENTÍFICA DA UFRA**

ISBN: 978-85-7295-137-1.

**Belém – Pará
2018**



Anais do XV Seminário Anual de Iniciação Científica da UFRA
ISBN: 978-85-7295-137-1.

© 2018 Universidade Federal Rural da Amazônia.

MINISTÉRIO DA EDUCAÇÃO

José Mendonça Bezerra Filho

MINISTRO

UNIVERSIDADE FEDERAL RURAL DA AMAZÔNIA

Marcel do Nascimento Botelho

Reitor

Janae Gonçalves

Vice-Reitora

PRO REITORIA DE PESQUISA E DESENVOLVIMENTO TECNOLÓGICO

Maria de Nazaré Martins Maciel

Pro- Reitora

Cândido de Oliveira Neto

Pro- reitor adjunto

PROGRAMA INSTITUCIONAL DE BOLSAS DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA

Paula Fernanda Viegas Pinheiro

Coordenadora

Seminário Anual de Iniciação Científica da UFRA (15. : 2017 : Belém, PA)

Anais do XV Seminário Anual de Iniciação Científica da UFRA /
Paula Fernanda Viegas Pinheiro, Tatianne Feitosa Soares,
Organizadoras. - Belém: Universidade Federal Rural da Amazônia,
2018.

567 p.

Disponível em: <http://www.pibic.ufra.edu.br/>.

ISBN: 978-85-7295-137-1.

1. Ciências Naturais. 2. Iniciação científica. 3. Pesquisa - Educação Superior. I. Pinheiro, Paula Fernanda Viegas, Org. II. Soares, Tatiane Feitosa, Org. III. Título.

CDD 378



ANÁLISE FILOGENÉTICA DE ESPÉCIES DE POTYVIRUS PROVENIENTES DE CUCURBITÁCEAS NO ESTADO DO PARÁ

Nara Helena Tavares da PONTE¹; Alessandra de Jesus BOARI²

O objetivo do presente trabalho foi estudar a diversidade genética de espécies de potyvirus que infectam cucurbitáceas no estado do Pará . Os potyvirus mais importantes que infectam cucurbitáceas ocorrendo no Brasil são: *Papaya ringspot virus-melancia* (PRSV-W), *Zucchini yellow mosaic virus* (ZYMV) e *Watermelon mosaic virus* (WMV). No estado do Pará, até o momento foram relatados os potyvirus ZYMV e PRSV-w na cultura da melancia, e o ZYMV em bucha. Foram analisados filogeneticamente as sequências de sete isolados de PRSV, três de ZYMV e um de WMV, oriundas das culturas de maxixe, melancia, abóbora e pepino. Os isolados foram obtidos de plantios localizados em onze municípios. Para isso, foram utilizados os primers PV1 e WCIEN para o vírus ZYMV e MJ1 e MJ2 para os virus PRSV-w e WMV no teste de RT-PCR. As sequências de nucleotídeos foram comparadas com as entradas no GenBank utilizando os programas BLAST, Clustal W e MEGA 5.0. As árvores filogenéticas geradas mostraram que os isolados PRSV-w paraenses se agruparam em três grupos distintos. As sequências ZYMV mostraram diferenças nucleotídicas entre si. Já o WMV mostrou alto grau de identidade nucleotídica com o acesso proveniente do Japão.

Palavras-chave: vírus, RT-PCR, filogenia.

¹Estudante de pósgraduação em agronomia da UFRA/Campus Belém/ e-mail: nara_ponte@hotmail.com .
² pesquisadora da Embrapa Amazônia Oriental, PA, Brasil/ e-mail: alessandra.boari@embrapa.br