

SELEÇÃO DE DESCRITORES E ESTIMATIVA DA DIVERSIDADE GENÉTICA NO GERMOPLASMA DE *Setária sphacelata* (Schumacher) Moss

Thiago Angelo da Cruz¹; Antonio Vander Pereira²

¹Universidade Federal de Juiz de Fora - Campus Juiz de Fora. ²Embrapa Gado de Leite. *vander.pereira@embrapa.br

A *Setária sphacelata* é uma forrageira que apresenta boa adaptação a áreas encharcadas e ao frio, além de elevada produção de forragem com alto valor nutritivo. Considerando este potencial, a Embrapa Gado de Leite introduziu da USDA/ARS uma coleção do germoplasma da espécie visando o melhoramento desta forrageira. A estimativa da diversidade genética é utilizada para orientar a preservação de germoplasma e a seleção de genitores com potencial de geração de progênes melhoradas. O objetivo deste trabalho foi selecionar descritores e estimar a diversidade genética na coleção de *Setária*, com base em métodos de análise multivariada. Os métodos estatísticos utilizados foram a análise por componentes principais, método aglomerativo de Tocher e o método hierárquico do vizinho mais próximo. A distância euclidiana média padronizada foi estimada como medida de dissimilaridade. As análises foram realizadas pelo software Genes. Foram avaliados 75 genótipos de *Setária* em experimento instalado no campo experimental José Henrique Bruschi (CEJHB), Coronel Pacheco - MG. Os caracteres morfo-agronômicos avaliados foram: altura da planta (AP); comprimento da folha (CF); largura da folha (LF); comprimento do internódio (CI); diâmetro do colmo (DC); teor de matéria seca folha (MSF); teor de matéria seca caule (MSC); teor de matéria seca planta (MSP); relação folha/caule (F/C) e produção de matéria verde da planta (MV). Com base na estimativa da distância euclidiana os caracteres com maior contribuição para a divergência foram MV, AP e CF, enquanto a análise de componentes principais indicou que os caracteres MSF, DC e MSC foram os que menos explicaram a variação no germoplasma. Foram obtidos seis grupos de acessos pelo método aglomerativo de Tocher, sendo que o grupo 1 concentrou 64 genótipos. A amplitude das distâncias (0,0583 à 0,2768) e a média das distâncias dos 75 acessos (0,2486) indicam a existência de ampla variabilidade genética entre os genótipos estudados.

Palavras-chave: análise multivariada; diversidade genética; *Setária sphacelata*.

Agradecimentos: Agradecimentos a Embrapa Gado de Leite e FAPEMIG.