



## DIVERSIDADE ENTRE ACESSOS DO COMPLEXO *Saccharum* ESTIMADA POR MEIO DE CARACTERES AGRONÔMICOS

Tassiano Maxwell Marinho Camara<sup>1</sup>; Adriane Leite do Amaral<sup>1\*</sup>;  
Lizz Kezzy de Moraes<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Embrapa Tabuleiros Costeiros. \*E-mail do autor apresentador: adriane.amaral@embrapa.br

A avaliação da diversidade genética presente em bancos ativos de germoplasma é importante para a definição de estratégias de gestão, bem como, para a conservação, valoração e uso dos recursos genéticos em benefício da sociedade. O objetivo do trabalho foi avaliar a divergência genética entre acessos de cana-de-açúcar e de espécies relacionadas, por meio de características morfoagronômicas. O trabalho foi conduzido no campo experimental da Embrapa Tabuleiros Costeiros (CPATC), localizado em Nossa Senhora das Dores, SE. Foram avaliados 12 plantas pertencentes ao Banco Ativo de Germoplasma do Complexo *Saccharum* (BAG Cana), sendo dois genótipos de cada uma das espécies *Erianthus arundinaceus*, *Miscanthus sp.*, *Saccharum officinarum*, *S. robustum*, e *S. spontaneum*, além das variedades comerciais RB 951541 e SP 791011. O ensaio foi instalado em novembro de 2015 no delineamento de blocos ao acaso, com três repetições e parcelas constituídas de três linhas de quatro metros, espaçadas em 1,5 m, sendo considerando área útil a linha central. O experimento foi conduzido com irrigação suplementar. Por ocasião da colheita, realizada 12 meses após o plantio, foram avaliados os caracteres: altura de plantas (AP), comprimento (CF) e largura (LF) da folha +3, diâmetro de colmos (DC), números de folhas verdes (FV), secas (FS) e de perfilhos por metro, área foliar de perfilho, índice de área foliar, produção de massa fresca (PMF) e seca (PMS). Na estimação de divergência entre acessos foi utilizada a distância de Mahalanobis. Para agrupamento dos genótipos foi empregado o método de Tocher. A análise de variância constatou diferenças significativas entre os acessos para todas as características avaliadas. As maiores distâncias entre pares de acessos foram obtidas entre os dois genótipos de *S. spontaneum* e para *S. spontaneum-1* e *S. officinarum-1*. As menores divergências foram observadas entre os dois acessos de *Erianthus* e entre *S. robustum-1* e SP 79-1011. Grande parte da divergência entre os acessos (51,8%) foi explicada por apenas três caracteres: FS, número de perfilhos e DC. Em ordem decrescente, os caracteres FV, PMF e PMS apresentaram as menores contribuições para a divergência (> 2,3% juntos). Na análise de agrupamento foram obtidos três grupos, sendo que cada acesso de *S. spontaneum* formou um grupo distinto e os outros dez genótipos, o terceiro agrupamento. Na avaliação da diversidade genética entre acessos do Complexo *Saccharum* recomenda-se o uso dos caracteres FS, número de perfilhos e DC. Os resultados sugerem a necessidade de ampliação da base genética no BAG Cana, principalmente para o gênero *Erianthus*.

**Palavras-chave:** Banco ativo de germoplasma; Cana-de-açúcar; Dissimilaridade.