



V CBRG

Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos
De 6 a 9 de novembro | Fortaleza-Ceará

DIVERSIDADE GENÉTICA ENTRE TIPOS DE CAMBUIZEIRO UTILIZANDO MARCADORES ISSR

Ana Letícia Sirqueira Nascimento^{1*}; Camila Santos Almeida Pereira¹; Ana da Silva Ledo²; Ana Veruska Cruz da Silva²

¹Universidade Federal de Sergipe. ²Embrapa Tabuleiros Costeiros. *analeticia_16@hotmail.com

O cambuizeiro (*Myrciaria tenella* O. Berg), pertence à família Myrtaceae. É uma frutífera nativa do Brasil, cujos frutos são ricos em vitamina C e apresentam potencial para consumo *in natura* e industrial na produção de sucos, geleias, fermentados e na alimentação de ruminantes devido aos altos teores de fibra, propriedades medicinais e uso ornamental. A caracterização dos tipos de cambuizeiro utilizando marcadores moleculares pode ser útil para avaliação da diversidade, e elaboração de estratégias de conservação desses recursos genéticos. O objetivo do presente trabalho foi avaliar a diversidade genética entre dois tipos da planta, diferenciados pela cor dos frutos - laranja (FL) e roxo (FR), utilizando marcadores moleculares ISSR. O material vegetal foi oriundo de área natural pertencente a Reserva Particular do Patrimônio Natural do Caju, localizada no campo experimental da Embrapa Tabuleiros Costeiros, no município de Itaporanga d'Ajuda, SE. Folhas jovens de 25 indivíduos (15 laranjas e 10 roxos) foram coletadas para extração de DNA e análise PCR-ISSR com 15 *primers*, os quais produziram um total de 93 bandas, sendo 95,5% polimórficas. A similaridade média foi de 0,53, com base no coeficiente de Jaccard. Os pares de indivíduos mais similares foram FL3 e FL4; FL4 e FL5, e os mais divergentes, FR5 e FL8; FR5 e FL9; FR1 e FR5. A análise UPGMA agrupou os indivíduos em dois grupos, porém não foi possível obter separação específica entre os tipos. Não foi encontrada uma marca molecular específica para tipos de cambuizeiro, entretanto, há variabilidade genética entre eles.

Palavras-chave: *Myrciaria tenella* O. Berg; frutas nativas; recursos genéticos.

Agradecimentos: Embrapa Tabuleiros Costeiros, CAPES, CNPq.