

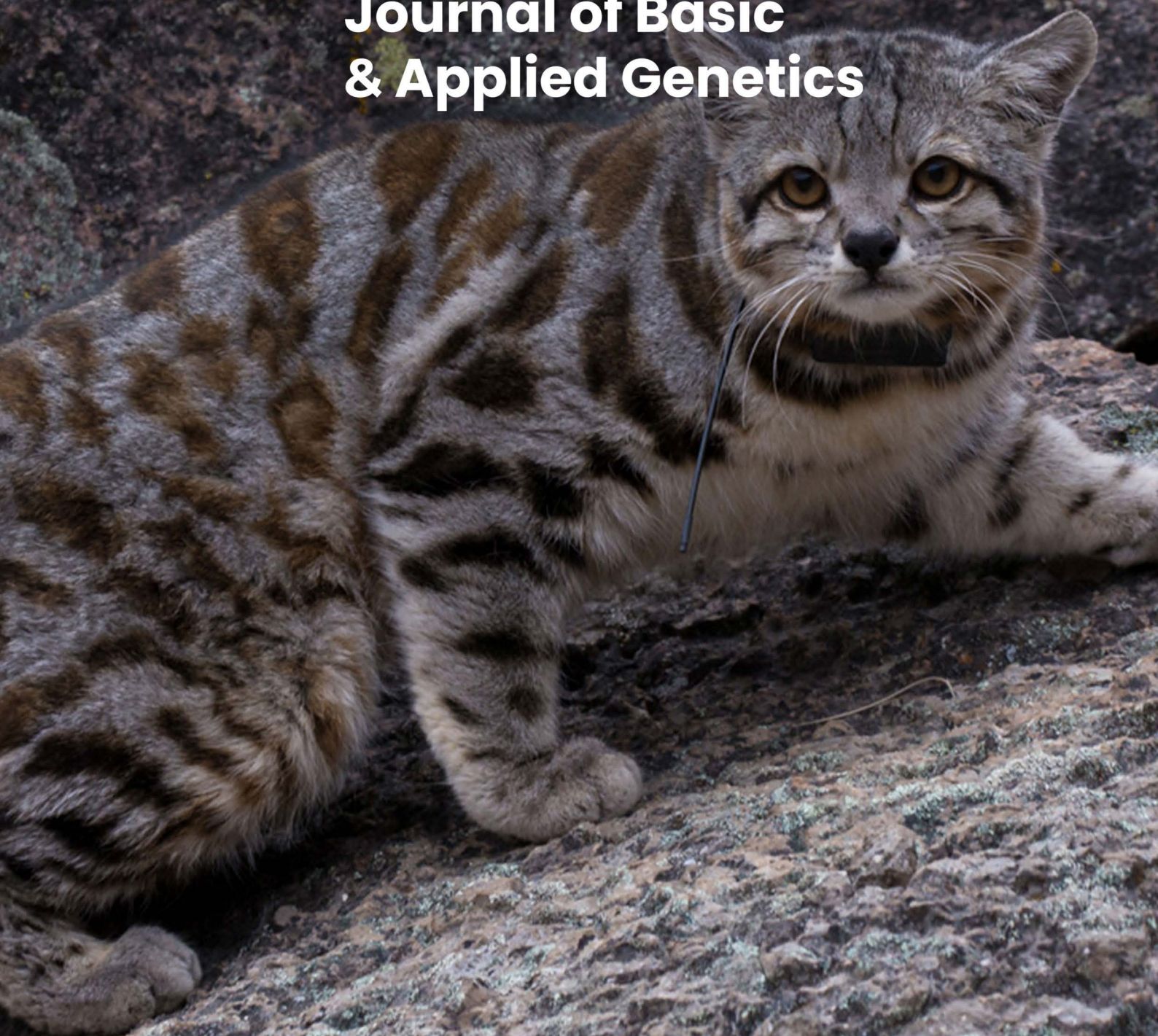
(Formerly MENDELIANA)



July 2019
Volumen XXX
No. 1 (suppl.)
E-ISSN: 1852-6322

BAG

**Journal of Basic
& Applied Genetics**



Journal of the Argentine Society of Genetics
Revista de la Sociedad Argentina de Genética

www.sag.org.ar/jbag
Buenos Aires, Argentina



BAG

Journal of Basic & Applied Genetics

V. XXX - No. 1 (suppl.)

October 2019

Included in:



Cited by:





ALAG

MENDOZA,
ARGENTINA 2019

La arquitectura
del genoma:
su expresión en
los fenotipos
y las poblaciones

6 AL 9 DE OCTUBRE DE 2019

XVII CONGRESO LATINOAMERICANO DE GENÉTICA
XLVII CONGRESO ARGENTINO DE GENÉTICA
LII REUNIÓN ANUAL DE LA SOCIEDAD DE GENÉTICA DE CHILE
VI CONGRESO DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE GENÉTICA
V CONGRESO LATINOAMERICANO DE GENÉTICA HUMANA
V SIMPOSIO LATINOAMERICANO DE CITOGENÉTICA Y EVOLUCIÓN

Organizadores



V SLACE

OTIMIZAÇÃO E AVALIAÇÃO DE PRIMERS SSR PARA *Urochloa brizantha*

Nayara N.¹, F.M.C. Felipe², N.O.S.S. Nara², G.S.C.B. Glaucia¹, D.M.D.A.D. Diva¹, L.C. Lucimara¹, V.T.D.C.C. Vera¹. ¹EMBRAPA, Brasil; ²UnB, Brasil. nayaracarvalho87@gmail.com

O gênero *Brachiaria/Urochloa* pertence à família *Poaceae*, e compreende aproximadamente 100 espécies. A caracterização genética representa grande auxílio para o conhecimento dos recursos genéticos e do melhoramento convencional. Marcadores moleculares SSR (*Simple Sequence Repeats*) tem sido utilizados como uma eficiente ferramenta para análises de variabilidade genética. O desenho dos primers utilizados nesse estudo baseou-se em sequências disponíveis no banco de sequências expressas de *B. brizantha* do Projeto “Genômica funcional e controle genético da reprodução sexual e apomítica de plantas com perspectivas biotecnológicas”. O objetivo deste estudo foi avaliar e caracterizar os primers para *U. brizantha*. Foram utilizados 40 acessos do Banco Ativo de Germoplasma de *Brachiaria* da Embrapa Gado de Corte. Os locos foram amplificados por meio de reações de PCR (*Polymerase Chain Reaction*), a separação dos fragmentos realizada por eletroforese em gel de poliacrilamida 5% e análise por presença ou ausência de banda. De um total de 154 orimers, 81 apresentaram polimorfismo representando 52,59% do total testado. Com apenas 13 primers SSR polimórficos utilizados para os 40 acessos, foi gerado um total de 74 marcadores que agruparam os acessos com similaridade variando de 0,24 a 0,96. Dois grupos foram formados com 0,31 e 0,33 de similaridade, respectivamente. Assim, os primers utilizados nesse estudo foram eficientes na distinção dos acessos e portanto, são promissores para o futuro estudo da variabilidade do banco de germoplasma.

SELECCIÓN DE HÍBRIDOS DE MAÍZ PARA ENSILAJE EN BASE A LA BIOMASA Y ANÁLISIS BIOQUÍMICOS, PROVINCIA DE SANTA ELENA, ECUADOR

Solís Lucas L.A.¹, C.J. Villón Chanalata¹. ¹Universidad Estatal Península de Santa Elena, Ecuador. lsolis@upse.edu.ec

El ensilaje de maíz es una alternativa válida para la alimentación del ganado bovino. Esto permite a los ganaderos obtener mayor masa corporal y por ende un mayor rendimiento. Sin embargo, los ganaderos de la provincia de Santa Elena, Ecuador sólo tienen conocimiento empírico de las características fenotípicas de estos híbridos y ninguna con relación a las características bioquímicas, por lo que el objetivo del presente trabajo fue establecer el rendimiento y calidad nutricional de híbridos de maíz para ensilaje. El experimento consideró un DBCA con arreglo factorial, siendo el factor A dos híbridos (Trueno y Auténtica) y el factor B, dos distancias de siembra (0,80x0,20; 0,60x0,25) con cinco repeticiones. Los tratamientos: T₁ (H. Trueno a 0,80x0,20), T₂ (H. Trueno a 0,60x0,25), T₃ (H. Auténtica a 0,80x0,20), T₄ (H. Auténtica a 0,60x0,25). La altura de la planta estimó significancia estadística entre los tratamientos a los 70 (T₂ con 219 cm) y 80 días (T₃ con 261 cm). La variable ancho de la hoja presentó diferencia significativa a los 80 días con el T₄ (15,80 cm); el mayor peso (g) en las partes de la planta se observó en los tallos con el T₂ a los 60 días. La mayor producción de biomasa fue para el H. Trueno (T₁) a los 70 días con 52,25 t/ha. Los análisis bromatológicos mostraron, a los 70 días previos al ensilaje, para el H. Auténtica, mayores contenidos de MS 47,89%, PC 11,76%, FB 38,67%, FDN 66,63%, FDA 45,68% y lignina 9,4%. Los valores para el H. Trueno de MS, PC, FB, FDN, FDA y lignina fueron de 38,17%, 11,50%, 38,42%, 66,91%, 45,38% y 9,80%, respectivamente.