

Caracterização morfoagronômica de acessos de *Parkia platycephala*

Raiane de Sousa Oliveira¹; Paulo Sarmanho da Costa Lima²; Gérson do Nascimento Costa³; Raimundo Nonato Oliveira Silva⁴; Francielle Aline Martins⁵; Ângela Celis de Almeida Lopes⁶

¹Bacharel em Ciências Biológicas/UESPI, estagiária na Embrapa Meio-Norte, raianedp2012@hotmail.com

²Pesquisador da Embrapa Meio-Norte, paulo.costa-lima@embrapa.br ³Mestre em Genética e Melhoramento Vegetal/UFPI, ⁴Prof. da Universidade Federal do Piauí/UFPI. ⁵Profª da Universidade Estadual do Piauí/UESPI.

⁶Profª da Universidade Federal do Piauí/UFPI.

A faveira-de-bolota (*Parkia platycephala*) é uma espécie de grande importância para alimentação bovina, destacando-se por seu alto valor nutricional. Entretanto, a falta de conhecimento dos recursos genéticos associados à fragmentação dos ecossistemas florestais vem influenciando a perda da diversidade genética dessa planta. Sendo assim, este trabalho objetivou a caracterização morfoagronômica de 10 acessos de *P. platycephala* (Benth), do Banco de Germoplasma de Forrageiras Nativas da Embrapa Meio-Norte, PI. Os acessos foram avaliados com base em 36 descritores morfoagronômicos, quantitativos e qualitativos relativos a: planta (10), floração (10), frutos (10) e sementes (6), sendo os mesmos definidos por revisão bibliográfica sobre a espécie e observação em campo. Os dados foram obtidos por meio da análise multivariada para estimar a diversidade genética, sendo que os diferentes agrupamentos de indivíduos foram relacionados à natureza dos dados. Foi observado que os acessos F-02 e F-06, quanto às variáveis multicategóricas, se destacaram como os mais divergentes. Para os caracteres quantitativos, o comprimento da inflorescência madura, comprimento do caule, largura da inflorescência imatura, peso da semente e comprimento do pedicelo representaram maior variabilidade genética entre os acessos. A população em estudo se mostrou diversificada em relação aos descritores analisados. Portanto, os descritores avaliados podem ser utilizados em outros estudos de caracterização da espécie.

Palavras-chave: Diversidade genética, faveira-de-bolota, forrageira.

Agradecimentos: Embrapa Meio-Norte, UESPI.