

## Caracterização morfoagronômica de acessos de *Parkia platycephala*

Raiane de Sousa Oliveira<sup>1</sup>; Paulo Sarmanho da Costa Lima<sup>2</sup>; Gérson do Nascimento Costa<sup>3</sup>; Raimundo Nonato Oliveira Silva<sup>4</sup>; Francielle Aline Martins<sup>5</sup>; Ângela Celis de Almeida Lopes<sup>6</sup>

<sup>1</sup>Bacharel em Ciências Biológicas/UESPI, estagiária na Embrapa Meio-Norte, [raianedp2012@hotmail.com](mailto:raianedp2012@hotmail.com)

<sup>2</sup>Pesquisador da Embrapa Meio-Norte, [paulo.costa-lima@embrapa.br](mailto:paulo.costa-lima@embrapa.br) <sup>3</sup>Mestre em Genética e Melhoramento Vegetal/UFPI, <sup>4</sup>Prof. da Universidade Federal do Piauí/UFPI. <sup>5</sup>Profª da Universidade Estadual do Piauí/UESPI.

<sup>6</sup>Profª da Universidade Federal do Piauí/UFPI.

A faveira-de-bolota (*Parkia platycephala*) é uma espécie de grande importância para alimentação bovina, destacando-se por seu alto valor nutricional. Entretanto, a falta de conhecimento dos recursos genéticos associados à fragmentação dos ecossistemas florestais vem influenciando a perda da diversidade genética dessa planta. Sendo assim, este trabalho objetivou a caracterização morfoagronômica de 10 acessos de *P. platycephala* (Benth), do Banco de Germoplasma de Forrageiras Nativas da Embrapa Meio-Norte, PI. Os acessos foram avaliados com base em 36 descritores morfoagronômicos, quantitativos e qualitativos relativos a: planta (10), floração (10), frutos (10) e sementes (6), sendo os mesmos definidos por revisão bibliográfica sobre a espécie e observação em campo. Os dados foram obtidos por meio da análise multivariada para estimar a diversidade genética, sendo que os diferentes agrupamentos de indivíduos foram relacionados à natureza dos dados. Foi observado que os acessos F-02 e F-06, quanto às variáveis multicategóricas, se destacaram como os mais divergentes. Para os caracteres quantitativos, o comprimento da inflorescência madura, comprimento do caule, largura da inflorescência imatura, peso da semente e comprimento do pedicelo representaram maior variabilidade genética entre os acessos. A população em estudo se mostrou diversificada em relação aos descritores analisados. Portanto, os descritores avaliados podem ser utilizados em outros estudos de caracterização da espécie.

**Palavras-chave:** Diversidade genética, faveira-de-bolota, forrageira.

**Agradecimentos:** Embrapa Meio-Norte, UESPI.