

## Screening do polimorfismo molecular em população segregante de trigo quanto à ferrugem-da-folha

Gabriela Alberis Marques<sup>(1)</sup>, Paula Wiethölter<sup>(2)</sup> e Sandra Patussi Brammer<sup>(3)</sup>

<sup>(1)</sup>Estudante de Biomedicina, Faculdade Especializada na Área da Saúde do Rio Grande do Sul-Fasurgs, Passo Fundo, RS. Bolsista PIBIC/CNPq. <sup>(2)</sup>Professora da Faculdade Especializada na Área da Saúde do Rio Grande do Sul-Fasurgs, orientadora, Passo Fundo, RS. <sup>(3)</sup>Pesquisadora da Embrapa Trigo, coorientadora, Passo Fundo, RS.

**Resumo** – O trigo (*Triticum aestivum* L.) destaca-se entre os cereais mais produzidos mundialmente, sendo comum o aparecimento de diversas doenças que afetam o seu desenvolvimento, como a ferrugem-da-folha, ocasionada pelo fungo *Puccinia triticina* Ericks. Essa doença tem importância histórica e econômica, pois compromete a produtividade dos grãos. A melhor estratégia de controle é a resistência genética, em que a piramidização de genes aumenta a vida útil das cultivares. O objetivo do trabalho foi analisar o *screening* molecular nas cultivares parentais, selecionando marcadores microssatélites polimórficos entre eles, seguida da genotipagem na população segregante oriunda de Toropi x Morocco. A metodologia envolveu a sementeira do trigo; coleta de tecido foliar; extração de DNA pelo método CTAB; preparo da PCR; eletroforese em gel de agarose e análise dos géis. Primers microssatélites, disponíveis na literatura, identificaram fragmentos de DNA contrastantes entre os parentais: dos oitos primers testados, dois foram polimórficos e utilizados na análise de toda a população segregante. A comparação das bandas, indicou que das 200 linhas segregantes analisadas para o primer Wms408, 70% apresentaram o alelo de resistência à ferrugem-da-folha do trigo e 30% à suscetibilidade. Já para o primer Wms160, 54% possuíam o alelo resistente e 46% o suscetível. Em ambas as situações, o alelo associado à resistência genética foi predominante, embora novos primers microssatélites deverão ser testados. Portanto, a disponibilização de genótipos promissores, caracterizados através de marcadores moleculares e de avaliações fitopatológicas à ferrugem-da-folha, permitirá um incremento ao melhoramento genético de trigo.

**Termos para indexação:** *Triticum aestivum*, *Puccinia triticina*, microssatélites, genotipagem, SSR

**Apoio:** Embrapa e CNPq