

## Variabilidade de cultivares brasileiras de trigo

**Natália Bonfante<sup>(1)</sup>, Tammy Aparecida Manabe Kiihl<sup>(2)</sup> e Valéria Carpentieri-Pípolo<sup>(3)</sup>**

*<sup>(1)</sup>Estudante de Ciências Biológicas, Universidade de Passo Fundo-UPF, Passo Fundo, RS. Bolsista PIBIC-CNPq. <sup>(2)</sup>Pesquisadora da Embrapa Trigo, orientadora, Passo Fundo, RS. <sup>(3)</sup>Pesquisadora da Embrapa Trigo, Passo Fundo, RS.*

**Resumo** – Preocupado com a conservação da diversidade genética o Brasil assinou o Tratado Internacional de Recursos Fitogenéticos para Alimentação e Agricultura (Tirfaa). A Embrapa Trigo, responsável pelo Banco Ativo de Germoplasma de Trigo (BAG), disponibilizou sementes de uma coleção de 207 acessos para o Paraguai e Uruguai, que juntamente com o Brasil, compõem a Rede Latino-americana para implementação do Tirfaa. O objetivo deste trabalho é apresentar os resultados de caracterização da variabilidade morfo-agronômica da coleção de trigo disponibilizada para o Tirfaa. A coleção compreende genótipos recomendados para o cultivo no Brasil resultantes dos programas de melhoramento de diversas empresas de pesquisa. O experimento foi realizado na safra de 2019, em casa de vegetação, na Embrapa Trigo, Passo Fundo, RS. A caracterização foi realizada com base nos descritores mínimos de trigo (*Triticum aestivum* L.) para o registro de cultivares. A análise da variância foi significativa para todos os caracteres fenotípicos avaliados, indicando a existência de variabilidade entre os 207 genótipos de trigo avaliados. O ciclo das cultivares, em dias a partir da emergência, variou de 128 a 180 dias (Desvio Padrão = 11,17), o espigamento variou de 126 a 185 dias (Desvio Padrão = 10,08) e o florescimento variou de 73 a 122 dias (Desvio Padrão = 10,90). A altura de plantas variou de 90 a 195 centímetros (Desvio Padrão = 24,80). O hábito ereto predominou em 180 genótipos, a cerosidade forte da folha bandeira caracteriza 175 dos 207 genótipos e 199 dos genótipos avaliados são aristados e oito são múticos.

**Termos para indexação:** *Triticum aestivum*, BAG, recursos genéticos

**Apoio:** Embrapa e CNPq