

ANÁLISE GENÉTICA POPULACIONAL DE *Cedrela fissilis* – CEDRO (MELIACEAE) UTILIZANDO MARCADORES MICROSSATÉLITES.

Machado, FR^{1,2}; Gaiotto, FA³; Silva, VP¹; Almeida, TNS¹; Ciampi, AY¹

¹Laboratório de Genética Vegetal, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília-DF, ²Biologia UnB, Brasília-DF, ³Engenharia Florestal, ESALQ, SP

aciampi@cenargen.embrapa.br

Palavras-chave: *Cedrela fissilis*, microssatélites, polimorfismo.

A criação de unidades de conservação de uso indireto no Brasil, iniciada com o Parque Nacional do Itatiaia, em 1937, visa a proteção da diversidade biológica do país. Todavia, tem-se procurado identificar áreas prioritárias para a conservação, principalmente nos biomas mais ameaçados, entre eles a Mata Seca, com base na evolução dos conhecimentos técnicos. Uma das áreas prioritárias escolhidas para estudo foram as Florestas Estacionais Decíduas da Região do Vale do Paranã (GO), com diferentes áreas de perturbação. Nessa região, foi escolhida para análise genética a espécie *Cedrela fissilis* - cedro (Família Meliaceae), planta característica das florestas semidecíduas e pluvial Atlântica, na qual apresenta madeira largamente empregada em compensados, esquadrias, móveis em geral e paisagismo de parques e grandes jardins. Visando avaliar a estrutura genética das populações, foram coletados indivíduos de cinco populações dentre áreas perturbadas e intactas: Fazenda Flor da Ermo Perturbada – 30 indivíduos; Fazenda Olhos d'Água (intacta)- 30 indivíduos; Fazenda São Domingos (intacta)- 30 indivíduos; Fazenda São Domingos Perturbada- 17 indivíduos; Fazenda Traçadal Intacta- 30 indivíduos. A fazenda que apresentou menos número de indivíduos é devido ao fato da grande perturbação nessa área. Foram coletadas amostras de caule das quais os DNAs foram extraídos de acordo com o protocolo CTAB 2% e submetidos à análise genética por marcadores moleculares codominantes microssatélites (SSR) desenvolvidos para cedro na Embrapa Cenargen. A detecção de polimorfismo nos 4 (quatro) locos analisados foi feita através do gel desnaturante de poliacrilamida 4% corado com nitrato de prata. Utilizando-se o programa GDA (Genetic Data Analysis versão 1.0), obtivemos alelos polimórficos de 7,5 a 10, estimativa de Heterozigosidade Esperada (He) variando de 0,79 a 0,86 e Heterozigosidade Obtida (Ho) de 0,46 a 0,65. A diferenciação entre populações foi de 0,042 e o índice de fixação foi de zero, 343, ambas significativas (CI 95%). Estes dados retratam a possível perturbação das populações verificadas pelo alto índice de endogamia.

Apoio financeiro: PROBIO/MMNA.