

AVALIAÇÃO DE CARACTERES MORFOLÓGICOS EM CLONES DE CAFÉ CONILLON (*Coffea canephora* Pierre ex. Froehner) COLETADOS EM RONDÔNIA. Souza, F. de F.¹; Gama, F. de C.². ¹Eng. Agrônomo, M.Sc. Pesquisador Embrapa Rondônia, C.P. 406, CEP 78700-970, Porto Velho, Rondônia (flaviofs@cpafro.embrapa.br); ²Bolsista CNPq/UNIR/Embrapa Rondônia.

Este trabalho teve como objetivo estudar a variação quantitativa de caracteres morfológicos em diferentes genótipos de *Coffea canephora*, var. Conillon, a fim de estimar alguns parâmetros importantes para o melhoramento genético da espécie. O experimento foi instalado na Estação Experimental da Embrapa Rondônia, em Ouro Preto do Oeste – RO. Cinquenta e um clones, coletados nas principais regiões produtoras do Estado, foram avaliados em um delineamento de blocos ao acaso, com quatro repetições e duas plantas por parcela. Os caracteres avaliados foram: massa do fruto (MMF), comprimento do fruto (CMF), largura do fruto (LMF), número de frutos por racemo (NFR), número de racemos por ramo (NRR), número de ramos plagiotrópicos (NRP), comprimento de ramos plagiotrópicos (CRP), comprimento de internódios (CMI), altura de planta (AMP) e massa total de frutos por ramo (MTF). As variáveis foram submetidas à análise de variância e seus coeficientes de correlação foram calculados com base na razão entre a covariância dos pares de caracteres e o produto dos respectivos desvios-padrão. Foram verificadas diferenças estatísticas entre os clones para todos os caracteres avaliados, os quais apresentaram os seguintes limites de variação: MMF [0,56g – 1,12g], CMF [1,25cm – 1,73cm], LMF [0,98cm – 1,39], NFR [7,7 – 23,4], NRR [6,8 – 14,8], NRP [121,2 – 260,0], CRP [45,5cm – 81,2cm], CMI [2,58cm – 4,53cm], AMP [1,27m – 1,95m], MTF [28,40g – 152,23g]. Os caracteres mais correlacionados com a massa total de frutos por ramo foram: NFR (0,93), NRR (0,67), CMI (0,67), CRP (0,56), LMF (0,55) e MMF (0,50). Isso sugere que esses caracteres podem ser úteis no melhoramento genético do café Conillon, uma vez que a seleção visando ao incremento dos mesmos promove a seleção indireta dos genótipos mais produtivos.