

ESTIMATIVA DA PROPORÇÃO DE GENES IDÊNTICOS POR DESCENDÊNCIA EM FAMÍLIAS DE MEIOS-IRMÃOS PARA MAPEAR QTL

MARIO LUIZ MARTINEZ¹, NATASCHA VUKASINOVIC²

¹ Pesquisador da Embrapa Gado de Leite - CNPGL - 36038-330 - Juiz de Fora - MG

² Swiss Federal Institute of Technology, Clausiusstr. 50, 8092 Zurich, Switzerland.

RESUMO: O desenvolvimento de mapas de ligações tem estimulado a procura por métodos que permitam mapear genes responsáveis por variação em locus de características quantitativas (QTL). O método de pares de irmãos baseado na relação entre genes idênticos por descendência (IBD) tem sido utilizado para mapear QTL. O objetivo deste trabalho foi estender o método de pares de irmãos (HASEMAN e ELSTON, 1972) para se estimar a proporção (p) de genes IBD em famílias de meio-irmãos. Os resultados obtidos sugerem que os procedimentos utilizados foram eficientes para se estimar p , mesmo quando os genótipos dos pais foram parcial ou totalmente desconhecidos.

PALAVRAS-CHAVE: genes idênticos por descendência, meio-irmãos, QTL



CARACTERIZAÇÃO DA RAÇA NELORE COM BASE EM SEIS MARCADORES MOLECULARES

DANIELLA D. TAMBASCO¹, MAURÍCIO M. DE ALENCAR², LUIZ L. COUTINHO³, ANTONIO J. TAMBASCO², MARINA D. TAMBASCO¹, LUCIANA C. A. REGITANO²

¹ Departamento de Genética e Evolução - UFSCar, São Carlos, SP

² Pesquisador da Embrapa Pecuária Sudeste, Caixa Postal 339, CEP: 13560-970, São Carlos, SP

³ Departamento de Zootecnia - ESALQ/ USP, Piracicaba, SP

RESUMO: No presente trabalho, 180 fêmeas da raça Nelore, provenientes de 8 rebanhos, foram analisadas quanto aos marcadores microssatélites TEXAN15, BM1224 e CSFM50 e quanto aos polimorfismos de fragmentos de restrição (RFLP) nos locos k-caseína, b-lactoglobulina e hormônio de crescimento (GH). Com exceção de GH, todos os marcadores foram polimórficos na amostra estudada. Os valores de heterozigosidade, diversidade gênica, conteúdo de informação polimórfica (PIC) e probabilidade de exclusão de paternidade (PE) foram estimados. Os maiores valores de PIC (0,685) e PE (0,521) foram obtidos para o marcador BM1224.

PALAVRAS-CHAVE: bovino, DNA, marcador, microssatélite, Nelore, RFLP