

Número cromossômico e padrão de distribuição da heterocromatina em espécies de *Passiflora* spp.

Kedma Raissa Gomes dos Santos¹; Kananda Laira Gomes Marçal²; Tiago Lima do Nascimento³; Nataniel Franklin de Melo⁴

Resumo — O gênero *Passiflora* é composto por mais de 600 espécies, das quais aproximadamente 160 são nativas do Brasil, considerado como um dos principais centros de diversidade genética para o gênero. Apesar dessa diversidade, e de sua importância econômica, estudos citogenéticos sobre o maracujazeiro ainda são escassos, estimando-se que menos de 30% das espécies de *Passiflora* possuem informações citogenéticas publicadas, a maioria limitando-se à contagem cromossômica. Essa carência de informações cariotípicas pode dificultar estratégias de conservação e melhoramento genético das espécies. Diante da ampla diversidade genética do gênero, este trabalho teve como objetivo analisar e comparar citogeneticamente o cariótipo de nove espécies de *Passiflora* conservadas no Banco Ativo de Germoplasma (BAG) de Maracujá da Embrapa Semiárido. As espécies analisadas foram *P. alata*, *P. cincinnata*, *P. edmundoi*, *P. edulis*, *P. foetida*, *P. laurifolia*, *P. ligularis*, *P. luetzelburgii* e *P. setacea*. Raízes em crescimento ativo foram coletadas, tratadas com o antimitótico 8-hidroxiquinoleína e fixadas em solução Carnoy 3:1. O material foi corado com os fluorocromos base específicos cromomicina A3 (CMA) e 4',6'-diamino-2-fenil-indol (DAPI) e, em seguida, as imagens das células em metáfase foram fotografadas com auxílio de um microscópio de epifluorescência utilizando o software Leica QFISH. A coloração com CMA/DAPI permitiu observar $2n=20$ cromossomos para *P. foetida* e $2n=18$ para as demais espécies. A heterocromatina CMA+ foi localizada em todos os acessos, com *P. edulis* e *P. alata* apresentando quatro cromossomos com blocos CMA+ nas regiões terminais, *P. foetida* com blocos localizados nas regiões terminais e pericentroméricas de seis cromossomos, e as demais espécies com quatro ou seis blocos CMA+ nas regiões terminais e pericentroméricas. Alguns desses blocos CMA+ foram observados destacados dos cromossomos, possivelmente correspondendo às regiões organizadoras do nucléolo. Esses resultados evidenciam a variabilidade cariológica do gênero e oferecem dados essenciais para estudos de diversidade, conservação e melhoramento genético em *Passiflora*.

Palavras-chave: citogenética, maracujazeiro, diversidade genética, fluorocromos.

Financiamento: Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq) e Embrapa.

¹Mestranda em Recursos Genéticos Vegetais, Universidade Estadual de Feira de Santana (Uefs), bolsista CNPq, Petrolina, PE. ²Doutoranda em Recursos Genéticos Vegetais, Uefs, Petrolina, PE. ³Doutor em Recursos Genéticos Vegetais, bolsista Facepe/Embrapa, Petrolina, PE. ⁴Pesquisador, Embrapa Semiárido, Petrolina, PE, nataniel.melo@embrapa.br.