



SIMILARIDADE GENÉTICA, ESTIMADA POR MICROSSATÉLITES, EM GENÓTIPOS DE *Triticum tauschii* E *Triticum durum*

Sandra Patussi Brammer¹; Ana Lídia Bonato¹; Fernanda Rizotto²; Renata da Rocha³
Embrapa Trigo, Passo Fundo-RS. Laboratório de Biotecnologia. E-mail: sandra@cnpct.embrapa.br

INTRODUÇÃO

Atualmente pesquisas são conduzidas visando aumentar a variabilidade genética em trigo, incorporando genes de interesse agrônomo de seus parentais silvestres. O *Triticum tauschii* (sinônimos - *Aegilops squarrosa* e *Aegilops tauschii*), espécie diplóide e doadora do genoma D de *T. aestivum*, e o *T. durum* (espécie tetraplóide) são dois exemplos a serem usados no melhoramento genético. Além disso, a ampla hibridação tem sido registrada como ocorrência natural entre as espécies poliplóides do grupo *Aegilops-Triticum*.

OBJETIVOS

Objetivou-se avaliar a similaridade genética entre *T. tauschii*, *T. durum* e os híbridos do cruzamento entre essas duas espécies, embora distintas, mas altamente relacionadas. A partir das análises inter e intra-específicas recursos valiosos serão disponibilizados para a detecção da similaridade e/ou variabilidade genética entre os mesmos.

MATERIAL E MÉTODOS

Foram utilizados 14 acessos de *T. tauschii*, 5 de *T. durum* e 9 de seus híbridos. Destes 28 genótipos foram coletadas folhas jovens para extração do DNA genômico, conforme protocolo CTAB (Ferreira & Grattapaglia, 1998). As amostras foram quantificadas em espectrofotômetro e diluídas para 50ng/ul. Os ciclos de PCR foram: 3 minutos a 94°C; 45 vezes de 1 minuto a 94°C; 1 minuto a 60°C (temperaturas de anelamento dos primers 55°C ou 50°C) e 2 minutos a 72°C; 10 minutos a 72°C. Estas reações foram migradas em gel de agarose 2% corado com brometo de etídio. A similaridade genética foi determinada pelo coeficiente de Jaccard e programa NTSYSpc, sendo que os agrupamentos foram realizados por UPGMA.

RESULTADOS

Foram testados 51 primers para microssatélites, dos quais 15 apresentaram-se polimórficos entre os genótipos avaliados. A análise da similaridade genética gerou um dendrograma com três grupos distintos: um grupo formado pelos parentais de *T. tauschii* (grupo I), outro pelos híbridos (grupo II) e um terceiro pelos parentais de *T. durum* (grupo III) (Figura 1). Analisando-se individualmente cada grupo, detectou-se variabilidade intra-específica em todos os casos, ressaltando-se a necessidade deste tipo de estudo quando se deseja selecionar os melhores parentais em cruzamentos dirigidos. O presente trabalho terá continuidade, pois novos primers deverão ser usados.

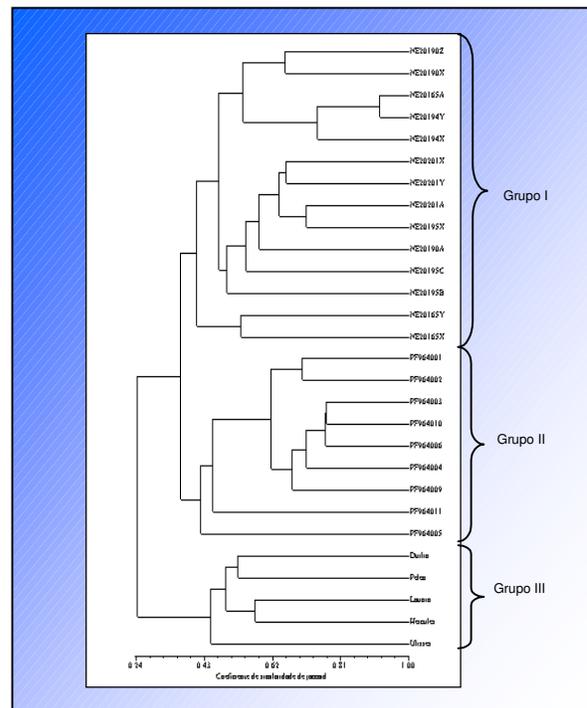


Figura 1 - Dendrograma obtido a partir da análise de 15 primers polimórficos de microssatélites

- 1 - Pesquisadora Embrapa Trigo, Passo Fundo.
- 2 - Acadêmica de Ciências Biológicas - Universidade de Passo Fundo Bolsista PIBIC/CNPq
- 3 - Acadêmica de Química - Universidade de Passo Fundo - Bolsista PIBIC/CNPq

REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS

FERREIRA, M.E.; GRATTAPAGLIA, D. *Introdução ao uso de marcadores moleculares em análise genética*. 3. ed. Brasília: EMBRAPA/CENARGEM, 1998.